

별첨 사본은 아래 출원의 원본과 동일함을 증명함.

This is to certify that the following application annexed hereto  
is a true copy from the records of the Korean Intellectual  
Property Office.

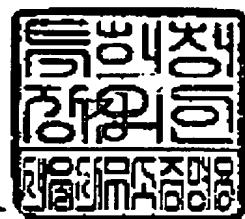
출 원 번 호 : 10-2004-0004308  
Application Number

출 원 년 월 일 : 2004년 01월 20일  
Filing Date JAN 20, 2004

출 원 인 : 한국생명공학연구원  
Applicant(s) Korea Research Institute of  
Bioscience and Biotechnology



2010년 04월 07일



특 허 청

COMMISSIONER

◆ This certificate was issued by Korean Intellectual Property Office. Please confirm any forgery or alteration of the contents by an issue number or a barcode of the document below through the KIPOnet- Online Issue of the Certificates' menu of Korean Intellectual Property Office homepage ([www.kipo.go.kr](http://www.kipo.go.kr)). But please notice that the confirmation by the issue number is available only for 90 days.

출원번호: 10-2004-0004308

【서지사항】

【서류명】	특허 출원서
【권리구분】	특허
【수신처】	특허청장
【제출일자】	2004.01.20
【발명의 국문명칭】	줄기 세포로부터 자연살해 세포로의 분화 조절용 유전자를 유효성분으로 포함하는 분화 조절제
【발명의 영문명칭】	Differentiation regulating agent containing gene which regulating differentiation from stem cell to natural killer cell as effective ingradient
【출원인】	
【명칭】	한국생명공학연구원
【출원인코드】	3-1999-034166-5
【대리인】	
【성명】	이원희
【대리인코드】	9-1998-000385-9
【포괄위임등록번호】	2002-029927-3
【발명자】	
【성명의 국문표기】	최인표
【성명의 영문표기】	CHOI, Inpyo
【주민등록번호】	560108-1XXXXXX
【우편번호】	305-335
【주소】	대전광역시 유성구 궁동 다솔 아파트 103동 204호

출원번호: 10-2004-0004308

【국적】 KR

【발명자】

【성명의 국문표기】 강형식

【성명의 영문표기】 KANG,Hyung-Sik

【주민등록번호】 620129-1XXXXXX

【우편번호】 302-280

【주소】 대전광역시 서구 월평동 전원아파트 102동 1402호

【국적】 KR

【발명자】

【성명의 국문표기】 윤석란

【성명의 영문표기】 YOON,Suk-Ran

【주민등록번호】 631211-2XXXXXX

【우편번호】 302-120

【주소】 대전광역시 서구 둔산동 아너스빌 1809호

【국적】 KR

【발명자】

【성명의 국문표기】 김은미

【성명의 영문표기】 KIM,Eun-Mi

【주민등록번호】 770315-2XXXXXX

【우편번호】 301-836

【주소】 대전광역시 중구 유천2동 267-4

【국적】 KR

출원번호: 10-2004-0004308

## 【심사청구】

### 【핵산염기 및 아미노산 서열목록】

【서열 개수】 48

## 【서열목록의 전자문서】 첨부

【취지】 특허법 제42조의 규정에 의한 출원, 특허법 제60조의 규정에 의한 출원심사 를 청구합니다.

## 대리인

이원희 (인)

### 【수수료】

【기본출원료】 64 면 38,000 원

【가산출원료】 0 원 0 원

【우선권주장료】 0 건 0 원

【심사청구류】 7 항 333.000 원

【합계】 371,000 원

【감면사유】 정부출연연구기관

【감면후 수수료】 185,500 원

**【요약서】**

**【요약】**

본 발명은 줄기세포에서 자연살해 세포로의 분화 조절용 유전자를 유효성분으로 함유하는 세포분화 조절제에 관한 것으로, 보다 구체적으로는 줄기세포에서 전구 자연살해 세포로의 분화 조절용 유전자를 유효성분으로 함유하는 세포분화 조절제 및 SAGE 분석방법을 통하여 상기 분화 조절 유전자를 스크리닝하는 방법에 관한 것이다. 본 발명의 유전자는 줄기세포에서 자연살해 세포로의 분화를 조절하는 것으로 알려져 있지 않은 신규한 유전자로, 상기 유전자는 SAGE 분석방법을 통해 손쉽게 스크리닝될 수 있고, 상기 유전자를 유효성분으로 함유하는 자연살해 세포분화 조절제는 항암제로 유용하게 사용될 수 있다.

**【대표도】**

도 2

### 【명세서】

#### 【발명의 명칭】

줄기 세포로부터 자연살해 세포로의 분화 조절용 유전자를 유효성분으로 포함하는 분화 조절제{Differentiation regulating agent containing gene which regulating differentiation from stem cell to natural killer cell as effective ingredient}

#### 【도면의 간단한 설명】

[0001] 도 1a 내지 도 1c는 OP9 간질세포 존재하(+OP9) 또는 OP9 부재하(-OP9)에서 생쥐의 조혈줄기 세포(HSC)로부터 전구 NK 세포(pNK)를 거쳐 성숙 NK 세포(mNK)로의 분화 단계별 표면 분자의 발현을 비교한 것이다.

[0002] 도 1a는 NK 세포 분화 각 단계에 있는 세포들의 순도를 두가지 색의 유세포 분석기에 의해 결정한 것으로 각각의 사방면(quadrant)에 있는 숫자는 해당 세포들의 백분율을 나타낸다.

[0003] 도면에서 HSC 세포의 경우, Lin<sup>-</sup> c-kit<sup>+</sup>: 96%, pNK 세포의 경우, CD122<sup>+</sup> NK1.1<sup>-</sup>: 95%, mNK(-OP9) 및 mNK(+OP9) 세포의 경우, CD122<sup>+</sup> NK1.1<sup>+</sup>: 각각 94% 및 96%

[0004] 도 1b는 전구 NK 세포를 OP9 간질 세포를 첨가하여 배양해 성숙 NK 세포로

출원번호: 10-2004-0004308

분화시켰을때, NK 세포 관련 표면 마커(NK1.1, DX5, CD94, NKG2A)가 발현 유도됨을 보여주는 그래프이다.

[0005] 도 1c는 NK 세포 분화 과정 중의 각 단계의 세포에서 전체 세포질 RNA를 분리해 대표적인 NK 세포 관련 유전자인 CD122 및 퍼포린(perforin)이 발현되는지 여부를 확인한 RT-PCR 분석 결과이다.

[0006] 도 2는 본 발명의 분화 조절 유전자를 탐색하기 위한 SAGE 분석 방법을 나타낸 모식도이다.

[0007] 도 3a 내지 도 3f는 NK 세포 분화 과정 동안의 유전자 발현 프로파일(profile)을 SAGE 분석하여 클러스터(cluster)한 것이다.

[0008] 도 3a는 HSC 세포에서 발현이 가장 높은 유전자군, 도 3b는 pNK 세포에서 발현이 가장 높은 유전자군, 도 3c는 mNK(-OP9) 세포에서 발현이 가장 높은 유전자군, 도 3d는 mNK(+OP9) 세포에서 발현이 가장 높은 유전자군을 나타낸다.

[0009] 도 3e는 NK 세포의 활성을 저해하는 유전자, 도 3f는 NK 세포의 활성을 촉진시키는 유전자를 나타낸다.

[0010] 상기 도 3a 내지 도 3f에서 SAGE 분석하여 클러스터한 결과에서 클러스터의 빈도가 80 이상인 것은 빨강, 50 내지 79인 것은 노랑, 30 내지 49인 것은 초록, 29 이하인 것은 파랑으로 표시하였다.

[0011] 도 4a 내지 도 4d는 본 발명에서 SAGE 분석을 통해 NK 세포 분화 조절을 한다고 분석된 유전자가 실제 발현이 되는지를 RT-PCR로 분석한 것으로, 각각은  $\beta$ -

출원번호: 10-2004-0004308  
액틴 유전자를 비교군으로 하여 정량화하였다.

[0012] 도 4a는 NK 세포 분화 과정중 HSC 세포에 특이적으로 발현되는 유전자, 도 4b는 pNK 세포에 특이적으로 발현되는 유전자, 도 4c는 mNK 세포에 특이적으로 발현되는 유전자를 분석한 것이며, 도 4d는 NK 세포 분화에 리포단백질 리파제(LPL)가 미치는 영향을 조사하기 위해 LPL을 250 ng/ml 및 500 ng/ml 처리하였을 때 mNK 세포로 분화가 증가됨을 확인한 것이다.

#### 【발명의 상세한 설명】

##### 【발명의 목적】

##### 【발명이 속하는 기술분야 및 그 분야의 종래기술】

[0013] 본 발명은 줄기세포로부터 자연살해 세포로의 분화 조절용 유전자를 유효성 분으로 함유하는 세포 분화 조절제 및 상기 유전자를 스크리닝하는 방법에 관한 것이다.

[0014] 줄기 세포(stem cell)는 여러 기관으로의 분화능(multipotent)과 자가 재생 능(self renewal)을 가진 세포로 배아에서 뿐만 아니라 성체에서도 발견된다. 줄기세포는 하나의 세포로부터 특이한 세포 또는 기관으로의 분화가 가능하여 이를 이용한 기관이식(organ transplantation) 또는 세포 대체요법(cell therapy)의 치료에 지대한 관심을 모으고 있다.

[0015] 성체 줄기세포중 하나인 조혈줄기 세포(hematopoietic stem cell)는 혈액을

출원번호: 10-2004-0004308

구성하는 모든 세포 즉, 적혈구, 백혈구, 혈소판 및 림프구로 분화할 수 있는 세포로 주로 골수에 있는 조혈줄기 세포로부터 생체의 면역체계를 구성하는 세포들이 지속적으로 자가 재생된다. 현재, 조혈줄기 세포는 골수이식을 통하여 암이나 여러 혈액질환의 치료에만 사용되고 있으나 최근에는 동물모델에서 조혈줄기 세포가 근육, 신경, 뼈와 같은 다른 형의 세포로도 분화가 가능하다고 보고되고 있어 이를 인간세포에 적용한다면 조혈줄기 세포가 다양한 세포와 조직을 대체할 수 있게 됨으로써 당뇨병, 파킨슨씨 병(Parkinson's disease), 척수손상을 비롯한 많은 질환의 치료를 가능하게 할 것으로 기대된다.

[0016]

특히, 자연살해 세포(natural killer cell, 이하 'NK 세포'라 약칭함)는 비특이적인 암의 살상능력이 있다. 이러한 NK 세포의 살해능을 이용하여 LAK(lymphokine activated killer cell)과 TIL(tumor infiltration lymphocytes)를 이용하여 고형암(solid tumor) 치료에 이용하거나, 공여자 임파구 주입(donor lymphocyte infusion)을 통한 면역치료법(*J Immunol.*, 1986, 36(10):3910-3915; *Hematologia*, 1999, 84:1110-1149)을 수행함으로써, 골수이식이나 장기 이식시 발생하는 거부반응을 방지하기 위한 새로운 세포치료 요법으로 응용되고 있다. 또한, NK 세포의 분화와 활성의 결함은 유방암(*Breast Cancer Res Treat.*, 2003, 66(3):255-263), 흑색종암(*Melanoma Res.*, 2003, 13(4):349-356), 폐암(*Lung Cancer*, 2002, 35(1):23-18)등 다양한 질병들과 관련 되어있음이 보고되어 이러한 질병들을 치료하기 위해 NK 세포 치료법이 대두되고 있다.

출원번호: 10-2004-0004308

[0017] 이에, 본 발명에서는 SAGE(Serial Analysis of Gene Expression)를 이용하여 줄기세포로부터 NK 세포로의 분화조절에 관여하는 신규 유전자들을 발굴하였으며, 이러한 세포분화 조절 유전자를 이용함으로써 NK 세포의 분화를 조절하고 나아가 암을 치료할 수 있는 가능성을 확인함으로써 본 발명을 완성하였다.

#### 【발명이 이루고자 하는 기술적 과제】

[0018] 본 발명의 목적은 줄기 세포로부터 자연살해 세포로의 분화 조절용 유전자를 유효성분으로 함유하는 NK 세포 분화 조절제 및 SAGE 분석방법을 이용하여 상기 유전자를 스크리닝하는 방법을 제공하는 것이다.

#### 【발명의 구성】

[0019] 상기 목적을 달성하기 위해 본 발명은 줄기 세포로부터 자연살해 세포로의 분화 조절제를 제공한다.

[0020] 또한, 본 발명은 줄기 세포로부터 전구 자연살해 세포로의 분화 조절제를 제공한다.

[0021] 또한, 본 발명은 전구 자연살해 세포로부터 성숙 자연살해 세포로의 분화 조절제를 제공한다.

[0022] 또한, 본 발명은 상기 분화 조절제를 이용한 항암제를 제공한다.

[0023] 또한, 본 발명은 SAGE 분석방법을 이용하여 줄기 세포로부터 자연살해 세포

출원번호: 10-2004-0004308

로의 분화 조절용 유전자를 스크리닝하는 방법을 제공한다.

[0024] 본 발명에 있어서, '분화 조절 유전자'라 함은 줄기 세포에서 자연살해 세포로의 분화단계를 조절하는 유전자로 분화를 촉진 또는 억제하는 기능을 하는 모든 유전자를 말한다. 즉, 본 발명의 분화 조절 유전자에 의해 분화를 촉진시켜 다음 단계로 진행할 수 있게 할 수도 있고, 각 단계를 유지하는데 필수적인 기능을 할 수도 있으며, 다음 분화 단계로 진행하지 못하게 하는 기능을 할 수도 있다.

[0025] 본 발명에 있어서, 'SAGE'라 함은 '유전자 발현의 순차적인 분석(Serial analysis of gene expression)'을 의미하는 것으로 본 발명에서 분석한 SAGE 분석 방법은 통상적인 SAGE 분석방법을 사용하여도 무방하며, 제조사의 방침 (Invitrogen<sup>TM</sup> life technologies)(<http://www.invitrogen.com>)에 따라 수행할 수도 있다.

[0026] 본 발명의 유전자명 뒤의 팔호안에 표시된 것은 각 유전자의 서열이 나타나 있는 유전자은행 기탁번호(GenBank ID)로 상기 유전자은행 기탁번호는 당업자라면 누구든지 용이하게 검색하고, 이용할 수 있다.

[0027] 본 발명에서 II형 제한효소는 유전공학에서 널리 사용되는 효소로 활성발현에 마그네슘이온을 필요로 하여 DNA분자의 특정한 염기배열을 인식하고 그 부위 또 는 인식염기배열로부터 일정 염기 떨어진 인접부위를 정확하게 절단하는 효소를 말하며, 본 발명에서 사용한 'IIS형 제한효소'는 *Nla*III(약 250 염기쌍 마다 CATG 부

출원번호: 10-2004-0004308

위를 인식하여 자름)를 말한다.

[0028]

이하, 본 발명을 상세히 설명한다.

[0029]

본 발명은 호메오박스 단백질 MIX(AF15457), 프리-프로-프로티나제 3(U97073), 마이엘로블라스토시스(Myb) 종양유전자(M16499), 케라틴 콤플렉스 1, 산성, 유전자 13(NM\_010662), PA-포스파타제 관련된 포스포에스터라제(AK002966),  $\gamma$ -파빈(BC011200), 포크헤드-관련된 전사인자 1C(AF330105), RIKEN cDNA 5730501N20 유전자(AK017744), c-myc 단백질(X010223), 리보좀 단백질 L10A(AK002613), Oct 2b 유전자(X53654), 미정(AK015601), 디하이드로리포아미드 디하이드로게나제(BC003368), 트라클(U81030), 라이소자임(BC002069), 폐리틴 H 체인(BC012314), 브레비칸(X87096), 매트릭스 메탈로프로티나제 12(BC019135), EIA-자극된 유전자의 세포적 억제제(AF084524), S100 칼슘 결합 단백질 A9(BC027635), MPS1 단백질(L20315), 트랜스글루타미나제 2(BC016492), 혈청 및 글루코코티코이드 조절된 단백질 키나제(AF139639), RIKEN cDNA 5830413L19(BC027496), 인터페론-유도된 단백질(BC003804), 유지방 글로불 막단백질 EGF 인자 8(BC018577), 세포-표면 당단백질 p91(U83172), 아르기나제 1(BC050005), 종양괴사 인자 수용체 1(M59378), 레티노이드-유도성 세린 카복시펩티다제(AF330052), 가설의 단백질 FLJ11000 유사(BC023802), 인터루킨-18 결합 단백질 d 전구체(AF110803), 클로라이드 채널 7(AK009435), CD36 항원(BC010262), 잠정적 아연 핑거 단백질 유사(BC030186), 카보하이드레이트 결합 단백질 35(J03723), C형 칼슘 의존, 카보하이

출원번호: 10-2004-0004308

드레이트(BC003218), 리포단백질 리파제(NM\_008509), v-maf 근건막 섬유육종 종양 유전자(BC038256), 인터루킨 7 수용체(NM\_008372), 키모카인(C-C) 수용체 1(BC011092), 뉴로필린(MGD|MGI:106206)(AK002673), SERPINA3G(XM\_127137), GABA-A 수용체 소단위 6(X51986), LAPTm5(U51239), G-단백질 신호 조절제(BC049968), 데코이-촉진 인자 GPI 고정된 mRNA(L41366), Y 박스 단백질 3(AK019465), 오스테오피트 전구체(J04806), 아밀로이드  $\beta$  (A4) 전구체 단백질-결합, 패밀리(AK021331), T 세포 수용체  $\beta$  소단위 변형(U63547), 면역 연관된 뉴크레오파이드 1(BC005577), 상위단계 전사 인자 1(NM\_009480), 후각 수용체 MOR267-7(NM\_146714), 림프구 특이적 단백질 티로신 키나제(M12056), 파골세포종 억제 인자(AB013898), 혈소판 활성 수용체 상동 유사(BC024054), 자연살해 세포 단백질군 2-A1(AF016008), 가설의 단백질 MGC36662(BC023851), 세마포린 6A 전구체 유사(AK004390), 뉴로필라멘트 유사, 종 폴리펩타이드(BC025872), 코로닌 유사, 액틴 결합 단백질 2A(BC026634), 솔루트 전달 패밀리 6(BC015245), 잠정적 퓨린성 수용체 P2Y10 상동(AK020001), T 세포 수용체 감마 체인(X03802), 폴리 A 폴리머라제 알파(NM\_011112), OPA-연관 단백질 OIP5 유사(AK017825), 미토겐 활성화된 단백질 키나제 1 유사(BC006708)로 구성된 군으로부터 선택되는 하나 이상의 유전자를 유효성분으로 포함하는 것을 특징으로 하는 자연살해 세포의 분화 조절제를 제공한다.

[0030]

또한, 본 발명은 호메오박스 단백질 MIX(AF15457), 프리-프로-프로티나제 3(U97073), 마이엘로블라스토시스(Myb) 종양유전자(M16499), 케라틴 콤플렉스 1,

출원번호: 10-2004-0004308  
산성, 유전자 13(NM\_010662), PA-포스파타제 관련된 포스포에스터라제(AK002966),  
γ-파빈(BC011200), 포크헤드-관련된 전사인자 1C(AF330105), RIKEN cDNA  
5730501N20 유전자(AK017744), c-myc 단백질(X010223), 리보좀 단백질  
L10A(AK002613), Oct 2b 유전자(X53654), 미정(AK015601), 디하이드로리포아미드  
디하이드로게나제(BC003368), 트라클(U81030)로 구성된 군으로부터 선택되는 하나  
이상의 유전자를 유효성분으로 포함하는 것을 특징으로 하는 줄기세포에서 전구 자  
연살해 세포로의 분화 조절제를 제공한다.

[0031] 또한, 본 발명은 라이소자임(BC002069), 페리틴 H 체인(BC012314), 브레비칸  
(X87096), 매트릭스 메탈로프로티나제 12(BC019135), EIA-자극된 유전자의 세포적  
억제제(AF084524), S100 칼슘 결합 단백질 A9(BC027635), MPS1 단백질(L20315), 트  
랜스글루타미나제 2(BC016492), 혼청 및 글루코코티코이드 조절된 단백질 키나제  
(AF139639), RIKEN cDNA 5830413L19(BC027496), 인터페론-유도된 단백질  
(BC003804), 유지방 글로불 막단백질 EGF 인자 8(BC018577), 세포-표면 당단백질  
p91(U83172), 아르기나제 1(BC050005), 종양괴사 인자 수용체 1(M59378), 레티노이  
드-유도성 세린 카복시펩티다제(AF330052), 가설의 단백질 FLJ11000 유사  
(BC023802), 인터루킨-18 결합 단백질 d 전구체(AF110803), 클로라이드 채널  
7(AK009435), CD36 항원(BC010262), 잠정적 아연 평거 단백질 유사(BC030186), 카  
보하이드레이트 결합 단백질 35(J03723), C형 칼슘 의존, 카보하이드레이트  
(BC003218), 리포단백질 리파제(NM\_008509), v-maf 근건막 섬유육종 종양유전자

출원번호: 10-2004-0004308  
(BC038256), 인터루킨 7 수용체(NM\_008372), 키모카인(C-C) 수용체 1(BC011092), 뉴로필린(MGD | MGI:106206)(AK002673)로 구성된 군으로부터 선택되는 하나 이상의 유전자를 유효성분으로 포함하는 것을 특징으로 하는 전구 자연살해 세포로부터 성숙 자연살해 세포로의 분화 조절제를 제공한다.

[0032] 또한, 본 발명은 SERPINA3G(XM\_127137), GABA-A 수용체 소단위 6(X51986), LAPTM5(U51239), G-단백질 신호 조절제(BC049968), 데코이-촉진 인자 GPI 고정된 mRNA(L41366), Y 박스 단백질 3(AK019465), 오스테오폰틴 전구체(J04806), 아밀로이드  $\beta$  (A4) 전구체 단백질-결합, 패밀리(AK021331), T 세포 수용체  $\beta$  소단위 변형(U63547), 면역 연관된 뉴크레오타이드 1(BC005577), 상위단계 전사 인자 1(NM\_009480), 후각 수용체 MOR267-7(NM\_146714), 림프구 특이적 단백질 티로신 키나제(M12056), 파콜세포종 억제 인자(AB013898), 혈소판 활성 수용체 상동 유사(BC024054), 자연살해 세포 단백질군 2-A1(AF016008), 가설의 단백질 MGC36662(BC023851), 세마포린 6A 전구체 유사(AK004390), 뉴로필라멘트 유사, 중폴리펩타이드(BC025872), 코로닌 유사, 액틴 결합 단백질 2A(BC026634), 솔루트 전달 패밀리 6(BC015245), 잠정적 퓨린성 수용체 P2Y10 상동(AK020001), T 세포 수용체 감마 체인(X03802), 폴리 A 폴리머라제 알파(NM\_011112), OPA-연관 단백질 OIP5 유사(AK017825), 미토젠 활성화된 단백질 키나제 1 유사(BC006708)로 구성된 군으로부터 선택되는 하나 이상의 유전자를 유효성분으로 포함하는 것을 특징으로 하는 성숙 자연살해 세포의 분화 조절제를 제공한다.

[0033] 본 발명의 분화 조절제의 유효성분인 유전자는 1) 줄기세포에서 전구 NK 세포로의 분화 조절, 2) 전구 NK 세포에서 성숙 NK 세포로의 분화 조절 및 3) 성숙 NK 세포의 분화 조절 기능을 하는 유전자로, 상기 각 단계의 분화 조절 유전자는 모두 줄기세포에서 NK 세포로의 분화 조절제로 사용될 수 있다. 본 발명의 실시예에서는 조혈줄기 세포인 HSC 세포에 사이토카인을 처리하여 배양함으로써 전구 NK 세포, 성숙 NK 세포로 분화유도를 시킬 수 있었다(도 1a 내지 도 1c). 상기 각 단계의 세포로부터 전체 RNA를 분리하고, 도 2에 나타난 모식도와 같이 SAGE 분석을 수행하였다. SAGE 분석을 통해 각 분화 단계별로 발현이 특이적으로 증가하는 유전자들을 탐색할 수 있었다(도 3a 내지 도 3f). 상기 탐색된 유전자를 이용하여 기존의 공지된 유전자 은행에 기탁된 유전자와 비교분석한 결과, 줄기세포에서 pNK 세포로의 분화(표 3 참조), pNK 세포에서 mNK 세포로의 분화(표 4 참조), mNK 세포의 분화(표 5 참조)를 조절하는 기능을 있다고 기존에 보고되지 않은 유전자군을 탐색할 수 있었다.

[0034] 따라서, SAGE를 통해 본 발명에서 분석한 유전자는 기존에 줄기세포에서 NK 세포로의 분화를 조절한다고는 알려져 있지 않은 신규한 기능을 하는 유전자임을 알 수 있으며, 이러한 유전자를 하나 이상 유효성분으로 함유하는 제제는 세포분화를 조절하는데 사용될 수 있다. 즉, 표 3에 기재된 유전자 중에서 하나 이상의 유전자를 이용하여 줄기세포로부터 전구 NK 세포로의 분화 조절제를 제조할 수 있으며, 표 4에 기재된 유전자 중에서 하나 이상의 유전자를 이용하여 전구 NK 세포로

출원번호: 10-2004-0004308

부터 성숙 NK 세포로의 분화 조절제를 제조할 수 있고, 표 5에 기재된 유전자 중에서 하나 이상의 유전자를 이용하여 성숙 NK 세포의 분화 조절제를 제조할 수 있다. 또한, 상기 표 3, 표 4 및 표 5에 기재된 유전자 모두는 줄기세포로부터 NK 세포로의 분화를 조절하는 기능을 하므로 이들 중 하나 이상의 유전자를 이용하여 자연살해 세포의 분화 조절제를 제조할 수 있다.

[0035] 본 발명의 세포 분화 조절제는 암의 치료 용도로 사용할 수 있다. 본 발명의 분화 조절제를 이용하여 치료할 수 있는 암으로는 유방암, 흑색종암 및 폐암으로 구성된 군으로부터 선택되는 암인 것이 바람직하다. NK 세포의 분화와 활성이 결합이 생기게 되면 다양한 암이 발생하게 되는데, 예를 들어 유방암(*Breast Cancer Res Treat.*, 2003, 66(3):255-263), 흑색종암(*Melanoma Res.*, 2003, 13(4):349-356), 폐암(*Lung Cancer*, 2002, 35(1):23-18)이 발생한다고 보고되어 있다. 따라서, 본 발명의 NK 세포 분화 조절제를 이용하면 NK 세포 분화를 조절함으로써 암, 특히 상기 기재된 암을 치료할 수 있다는 것이 자명하다.

[0036] 본 발명의 세포 분화 조절제는 임상투여시에 경구 또는 비경구로 투여가 가능하며 일반적인 의약품제제의 형태로 사용될 수 있다. 즉, 본 발명의 세포 분화 조절제는 실제 임상투여 시에 경구 및 비경구의 여러 가지 제형으로 투여될 수 있는데, 제제화할 경우에는 보통 사용하는 충진제, 증량제, 결합제, 습윤제, 봉해제, 계면활성제 등의 희석제 또는 부형제를 사용하여 조제된다. 경구투여를 위한 고형제제에는 정제, 환제, 산제, 과립제, 캡슐제 등이 포함되며, 이러한 고형 제제는 하나 이상의 본 발명의 유전자에 적어도 하나 이상의 부형제 예를 들면, 전분, 탄

출원번호: 10-2004-0004308

산칼슘(Calcium carbonate), 수크로스(Sucrose) 또는 락토오스(Lactose), 젤라틴 등을 섞어 조제된다. 또한 단순한 부형제 이외에 마그네슘 스티레이트 탈크 같은 윤활제들도 사용된다. 경구 투여를 위한 액상 제제로는 혼탁제, 내용액제, 유제, 시럽제 등이 해당되는데 흔히 사용되는 단순희석제인 물, 리퀴드 파라핀 이외에 여러 가지 부형제, 예를 들면 습윤제, 감미제, 방향제, 보존제 등이 포함될 수 있다. 비경구 투여를 위한 제제에는 멸균된 수용액, 비수성용제, 혼탁제, 유제, 동결건조제제, 좌제가 포함된다. 비수성용제, 혼탁용제로는 프로필렌글리콜(Propylene glycol), 폴리에틸렌 글리콜, 올리브 오일과 같은 식물성 기름, 에틸올레이트와 같은 주사 가능한 에스테르 등이 사용될 수 있다. 좌제의 기제로는 위텝솔(witepsol), 마크로골, 트윈(tween) 61, 카카오지, 라우린지, 글리세롤, 젤라틴 등이 사용 될 수 있다.

[0037] 본 발명의 치료제의 유효용량은 0.1 ~ 0.2 mg/kg 이고, 바람직하기로는 0.15 mg/kg이며, 하루 1~3 회 투여될 수 있다.

[0038] 또한, 본 발명은

[0039] 1) 세포로부터 전체 RNA를 분리하여 cDNA를 합성하는 단계;

[0040] 2) 단계 1의 cDNA를 절단하여 태그를 분리하는 단계;

[0041] 3) 단계 2에서 분리한 태그 각각을 연결한 후 이의 염기서열을 분석하는 단

계; 및

출원번호: 10-2004-0004308

[0042] 4) 단계 3에서 분석한 염기서열을 SAGE 분석 프로그램을 사용해 발현량을 측정하는 단계를 포함하는 것을 특징으로 하는 줄기 세포로부터 자연살해 세포로의 분화 조절용 유전자를 스크리닝하는 방법을 제공한다.

[0043] 상기 단계 1에 있어서, 세포는 줄기 세포에서부터 자연살해 세포까지의 각 분화 단계별 세포인 것이 바람직하다. 본 발명의 바람직한 실시예에서는 줄기 세포로 조혈줄기 세포(HSC)를 사용하고, 자연살해 세포로 전구 자연살해 세포, 성숙 자연살해 세포를 사용하였다. 또한, 전체 RNA는 샘플로부터 RNase 오염을 방지하면서 고수율로 전체 RNA를 분리할 수 있는 방법이면 어느 것이든 사용하여 분리하여도 무방하다(Sambrook, *et al.*, 1989, *Molecular Cloning*). 통상적으로는 RNA 분리 시약을 사용하여 제조사의 방침에 따라 분리하는 것이 간편하다. 또한, 전체 RNA로부터 cDNA를 합성하는 것은 전체 RNA에 올리고 dT 프라이머를 결합시켜 cDNA를 합성하는 것으로, 반드시 상기 방법으로 합성하지 않아도 되며 cDNA를 합성할 수 있는 방법이면 어떤 방법을 사용하여도 무방하다. 본 발명의 바람직한 실시예에서는 전체 RNA에 올리고 dT 프라이머를 위해 폴리 A 서열을 삽입하기 위해 사용한 것이다. 올리고 dT 프라이머는 20 내지 30 개의 T 서열이 반복되는 것이 바람직하다. 또한, 상기 올리고 dT 프라이머에는 추가로 자석비드를 결합시켜 cDNA를 합성하였으며, 이때 올리고 dT 프라이머는 mRNA를 합성하기로 한쪽 말단에 자석 비드를 결합시킬 수도 있는데, 자석 비드를 이용하면 손쉽게 다른 물질의 오염없이 태그를 분리할 수 있는 장점이 있다.

[0044] 또한, 상기 단계 2에 있어서, cDNA를 절단하여 태그를 분리하는 단계는

[0045] a) cDNA를  $\text{II}S$ 형 제한효소 1로 절단하여 태그를 제조하는 단계;

[0046] b)  $\text{II}S$ 형 제한효소 1 인식부위를 한쪽 말단에 포함하는 2종의 어댑터를 상기 단계 a에서 제조한 태그의 절단부위에 각각 연결시키는 단계;

[0047] c) 어댑터 연결된 상기 단계 b의 태그를  $\text{II}S$ 형 제한효소 2로 절단하여 상기 태그로부터 올리고 dT 자석 비드를 절단하여 태그를 분리하는 단계;

[0048] d) 단계 c에서 제조된 태그 각각을 연결하여 이중태그를 제조하는 단계;

[0049] e) 단계 d에서 제조된 이중태그를  $\text{II}S$ 형 제한효소 1로 절단하여 어댑터를 절단해 냄으로써 이중태그만을 제조하는 단계를 포함하여 제조되는 것이 바람직하다.

[0050] 상기 단계 a에 있어서, 합성된 cDNA를  $\text{II}S$ 형 제한효소 1로 절단하는 것은 상기 제한효소로 절단한 부위가 추후의 태그를 연결하기 위한 부위로 사용될 수 있으며, 절단된 부위가 5' 오버행(overhangs)을 형성함으로서 태그 연결이 용이하다는 장점 때문에 상기 제한효소로 절단하는 것이다.  $\text{II}S$ 형 제한효소 1는 여러 가지 효소 중에 어느 하나를 선택하여 사용하여도 무방하나  $Nla\text{III}$  제한효소를 사용하는 것이 더욱 바람직하다. 왜냐하면, cDNA에 있어서 250 bp마다 상기  $Nla\text{III}$  제한효소 인식부위가 존재하고 있다고 알려져 있기 때문에 상기 제한효소를 사용하면 일정한 크기를 갖는 태그를 손쉽게 절단해 낼 수 있다.

[0051] 상기 단계 b에 있어서, 태그의 절단 부위에 각각 연결시키는 2종의 어댑터는

출원번호: 10-2004-0004308

약 40 bp 내외의 길이를 가진 서열이 상보적으로 결합된 것으로서, 태그와 결합하는 부위에 있는 *Nla*III 제한효소 인식부위(CATG)를 한쪽 말단에 포함하고 있어 오버행을 형성하며, 이 부위가 태그와 결합하기 용이하도록 한다.

[0052] 상기 단계 c에 있어서, 어댑터 연결된 상기 태그를 *II*S형 제한효소 2로 절단하는 것은 *II*S형 제한효소 2가 어댑터에 있는 제한효소 부위에 결합하여 제한효소 절단부위로부터 10 내지 14bp 하류에 있는 부위를 절단하여 최종적으로는 5' 말단에 4 bp의 오버행 말단을 포함하는 약 50 bp 크기의 태그를 분리할 수 있도록 한다. 상기 *II*S형 제한효소 2는 *Bsm*FI을 사용하는 것이 바람직하다.

[0053] 상기 단계 d에 있어서, 태그 각각을 연결하여 이중태그를 형성하는 것은 태그 각각의 5' 말단이 오버행 말단을 형성하고 있기 때문에 이 부위를 서로 연결함으로써 이중태그를 형성하는 것이다. 이렇게 형성된 이중태그는 약 100 bp 정도의 크기를 형성한다.

[0054] 상기 단계 e에 있어서, 이중태그를 *II*S형 제한효소 1로 절단하여 어댑터를 절단해 냄으로써 이중태그만을 제조하는 것은 태그의 말단과 어댑터가 연결되는 부위가 *II*S형 제한효소 1 인식부위를 포함하기 때문에 상기 효소를 이용하면 어댑터가 절단되어 나가 약 26 bp 크기의 이중태그만을 분리할 수 있다.

[0055] 또한, 상기 단계 3에 있어서, 단계 2에서 분리한 태그 절편을 20 내지 50 개 연결한 후 염기서열을 분석하는 단계는 하기 기재된 단계로 수행하는 것이 바람직

출원번호: 10-2004-0004308  
하다.

[0056] a) 단계 2에서 제조한 이중태그를 각각 연결하여 콘카트머(concatemer) 형태로 제조한 후 클로닝용 벡터에 클로닝하는 단계; 및

[0057] b) 단계 a에서 클로닝한 벡터의 태그 염기서열을 분석하는 단계.

[0058] 상기 단계 a에 있어서, 이중태그를 연결하여 콘카트머(concatemer) 형태로 제조하는 것은 이중태그의 양쪽 말단이 모두 II S형 제한효소 1 인식부위를 포함해 오버행을 형성하므로, 이렇게 제조된 이중태그 각각은 모두 연결될 수 있고 이렇게 하여 약 20 내지 50개의 태그가 연결된 콘카트머를 형성할 수 있다. 또한, 상기 제조한 콘카트머 형태의 태그를 클로닝용 벡터에 클로닝하는 것은 염기서열 분석하기 용이하게 하기 위해 통상적으로 사용되는 클로닝 벡터에 삽입하는 것이 바람직 하며, 본 발명의 바람직한 실시예에서는 pZer0-1 벡터를 사용하였다. 상기 발현벡터는 SAGE 분석 방법을 수행하기 위해 제공되는 분석 킷트(Invitrogen Life Science)에 포함되어 있는 벡터로서 용이하게 이용할 수 있다.

[0059] 또한, 상기 단계 4에 있어서, 분석한 염기서열을 SAGE 분석 프로그램을 사용해 발현량을 측정하는 것은 염기서열 분석한 결과를 유전자은행에 기탁된 유전자 염기서열과 비교하여 어떠한 유전자인지 확인한 뒤 SAGE 분석 프로그램을 이용하여 발현 양상이 높은 것에서부터 시작하여 낮은 것까지를 클러스터링하여 빨강색, 노랑색, 녹색, 파랑색으로 구분하여 표시함으로써 유전자의 발현 양상을 용이하게 확

출원번호: 10-2004-0004308

인할 수 있게 한다. 또한, 이러한 발현양은 수치화하여도 무방하다. 본 발명의 바람직한 실시예에서는 클러스터의 빈도가 80 이상인 것은 빨강, 50 내지 79인 것은 노랑, 30 내지 49인 것은 초록, 29 이하인 것은 파랑으로 표시하였다. SAGE 분석 프로그램은 제조사에서 제공하는 프로그램을 사용하거나 인터넷상에서 제공되는 소프트웨어를 이용할 수 있다. 본 발명에서는 SAGE 결과를 클러스터링하기 위해 일반적으로 사용되는 프로그램(cluster and treeview computer program, <http://rana.1b1.gov>)을 사용하였다.

[0060] 본 발명의 유전자 스크리닝 방법은 SAGE 분석 방법을 통하여 스크리닝하는 것으로, 상기 각 단계는 일반적인 SAGE 분석 방법을 이용하여 수행하여도 무방하고, 제조사의 방침에 따라 적정하게 조정하여 수행하는 것이 바람직하다. 본 발명의 방법을 간단하게 모식도로 나타내면 도 2와 같다.

[0061] 이하, 본 발명을 실시예에 의해 상세히 설명한다.

[0062] 단, 하기 실시예는 본 발명을 예시하는 것일 뿐, 본 발명의 내용이 하기 실시예에 한정되는 것은 아니다.

[0063] <실시예 1> 골수로부터 조혈세포의 분리

[0064] 6 내지 9주령의 C57BL/6 생쥐(대한실험동물)의 경골과 대퇴골을 비롯한 모든 뼈를 분쇄하여 분쇄물을 70 마이크론 세포 스트레이너(strainer)로 통과시킨 다음,

출원번호: 10-2004-0004308

용해 용액(Sigma, St. Louse, MO)을 처리하여 적혈구를 제거함으로써 골수세포를 얻었다. 골수세포를 계통 마커 (CD11b : 대식세포 마커, Gr-1 : 과립구 마커, B220 : B세포 마커, NK1.1: NK세포 마커, CD2 : T세포 마커, TER-119: 적혈구 마커)에 대하여 바이오틴(biotin) 표지된 항체들과 반응시킨 후 세척하고, 스트렙트아비딘(streptavidin)이 표지된 자석 비드(Miltenyi Biotec, Auburn, CA)와 반응시켰다. 자석이 표지된 Lin<sup>+</sup> 세포들은 SuperMACS(Miltenyi Biotec)의 자장 안에서 CS 컬럼(Miltenyi Biotec)에 통과시켜서 소거하였다. 컬럼을 통과한 나머지 Lin<sup>-</sup> 세포들을 c-kit과 결합된 자석 비드와 반응시키고 MS 컬럼(Miltenyi Biotec)을 통과시킨 후 컬럼에 잔류하는 c-kit<sup>+</sup> 세포를 얻었다. 이렇게 얻은 Lin<sup>-</sup> c-kit<sup>+</sup>인 조혈줄기 세포(hematopoietic stem cell, 이하 'HSC 세포'라 약칭함)의 순도는 형광 유세포 계수기(FACS)(BD Bioscience, Mountainview, CA)로 확인한 결과, 96%이상의 순도를 가짐을 확인하였다.

[0065] <실시예 2> 조혈세포로부터 NK 세포로의 분화 유도

[0066] 상기 실시예 1에서 골수로부터 분리한 HSC 세포를  $2 \times 10^6$  세포수/웰의 농도로 생쥐 SCF(30 ng/ml, BioSource, Camarillo, CA), 생쥐 Flt3L(50 ng/ml, PeproTech, Rocky Hill, NJ), 생쥐 IL-7(0.5 ng/ml, PeproTech), 인도메타신(2 g/ml, Sigma), 젠타마이신(20 g/ml) 및 10% 우태아 혈청을 함유하는 RPMI 완전 배지

출원번호: 10-2004-0004308

를 사용하여 6-웰 플레이트(Falcon)에 접종하였다. 상기 세포를 37°C, 5% CO<sub>2</sub>에서

6일 동안 배양하는데, 배양 3일 후 배양 상층액 절반을 버리고 상기 접종시와 같은 조성의 사이토카인이 함유된 새로운 배지로 갈아 주었다. 배양 6일후, FITC 표지 된 CD122항체와 자석 비드가 붙은 항 FITC 항체를 이용하여 MACS로 CD122<sup>+</sup>인 NK 전구체 세포(premature NK cell, 이하 'pNK 세포'라 약칭함)를 분리하였다. NK 전구체 세포의 순도는 형광 유세포 계수기(FACS)로 분석한 결과, 92% 이상이었다.

[0067] 성숙한 NK 세포(mature NK cell, 이하 mNK 세포'라 약칭함)로의 분화를 위해 서는 6일 후 HSC 세포를 회수하여 OP9 간질 세포(stromal cell)(Nakano T, Kodama H, Honjo T., *Science*, 1994, 265(5175):1098-1101)와 함께 또는 단독으로 생쥐 IL-15(20 ng/ml, PeproTech)의 존재하에서 배양하였다. 배양 3일 후, 배양 배지의 절반을 같은 조성의 새로운 배지로 갈아주고, 배양 12일째, FITC로 표지된 항-NK1.1 항체와 자석 비드(MACS)가 붙은 항-FITC 항체를 이용하여 NK1.1<sup>+</sup> 세포를 분리하였다. 성숙한 NK 세포는 항-CD122, NK1.1, DX5, NK 세포 수용체 항체들을 이용하여 유세포 계수기(flow cytometry)로 분석하였다.

[0068] <실시예 3> 분리 정제한 NK 세포의 분화단계별 특이적 표현형 확인

[0069] NK 세포의 분화 단계별 특이적 세포를 얻기 위해, 생쥐의 골수로부터 분리한 Lin<sup>-</sup> c-kit<sup>+</sup> HSC(> 95%)를 SCF, Flt-3L, IL-7 존재하에서 6일간 배양한 후, CD122<sup>+</sup>

출원번호: 10-2004-0004308

인 pNK 세포(95%)를 분리하고, 유세포 계수기로 분석하였다. 그리고, mNK 세포(-OP9 or +OP9)는 IL-15 단독 또는 IL-15와 OP9 간질 세포를 함께 6일간 더 배양한 후 세포를 수득하여 유세포 계수기로 분석하였다(도 1a). 간질 세포와 함께 배양 하였을 때, 더 많은 mNK 세포(-OP9; 94% 및 +OP9; > 95%)를 얻을 수 있었다. mNK 세포 표면의 Ly49 수용체들은 mNK 세포의 기능에 중요한 역할을 하고 그들의 발현은 다른 면역세포들과의 상호연관(communication)에 의한 신호전달에 의해 조절된다. 골수에서 유래된 HSC와 간질 세포와의 동시배양이 mNK 세포의 Ly49 수용체 발현에 필수적인가를 알아보기 위해 IL-15의 존재하에서 단독 또는 OP9 세포와 함께 mNK 세포를 배양하고 Ly49 발현을 조사하였다(도 1b). OP9과 함께 배양하였을 때 (+OP9) mNK 세포에서 Ly49C/I 및 Ly49G2의 발현이 유도된 반면, OP9과 함께 배양하지 않으면(-OP9) Ly49C/I 및 Ly49G2의 발현이 유도되지 않았다. 이는 OP9 간질 세포와의 동시 배양이 NK 세포의 추후의 성숙(maturation)에 필수적이라는 것을 암시 한다. NK 세포 분화단계별 CD122와 퍼포린(perforin) 유전자 발현 양상을 통해 분화하는 동안 NK 세포로 성숙(maturation)됨을 확인할 수 있었다(도 1c).

[0070] <실시예 3> SAGE(Serial analysis of gene expression)

[0071] 상기 실시예 2에서 제조한 HSC 세포를 비롯하여 NK 분화단계 특이적인 세포 (pNK 및 mNK)로부터 전체 RNA를 분리한뒤 5  $\mu$ g의 전체 RNA로부터 올리고 (dT)<sub>25</sub> 자석 비드(Dynal A.S., Oslo, Norway)를 사용하여 mRNA를 분리 정제하였다. 상기 올

출원번호: 10-2004-0004308

리고 dT 비드로 분리 정제한 mRNA를 5'-바이오틴화되고 3'-연결된 올리고 (dT) 프라이머를 이용하여 cDNA 합성 킷트(Invitrogen, Life Technologies)로 합성하였다. 제조사의 방침(Invitrogen, Life Technologies)에 따라 도 2의 모식도로 예시되는 방법으로 cDNA로부터 SAGE 분석용 태그를 제작하였다. 상기 cDNA를 제한효소인 *Nla*III로 자른뒤 3'-부분을 스트렙트아비딘 코팅된 자석 비드(Dynal)로 결합시켰다. 태그는 2개의 분획으로 나누고, *Nla*III 인식 부위가 있는 2개의 링커(Invitrogen, Life Technologies)로 각각 연결하였다. 링커를 연결한 태그를 *Bsm*FI으로 절단한 뒤, 절단에 의해 유리된 태그와 링커에 *Pfu* DNA 폴리머라제를 처리하여 블런트-말단으로 만들고 블런트-말단을 연결하여 이중태그(ditag)가 형성되도록 하였다. 바이오틴 표지된 SAGE 프라이머(Invitrogen, Life Technologies)를 이용하여 상기 이중태그를 PCR 증폭한 후, 이중태그를 *Nla*III로 절단하여 링커로부터 분리하고, T4 DNA 리가제를 처리하여 콘카트머(concatemer) 형태로 만들었다. 상기 제조된 콘카트머들을 *Sph* I-절단된 pZero-1 벡터(Invitrogen, Carlsbad, CA)에 클로닝하였다 (도 2). 서열번호 1로 기재되는 M13 정방향 프라이머와 서열번호 2로 기재되는 M13 역방향 프라이머를 사용하여 상기 클로닝 산물을 PCR 증폭한 후 증폭된 양성 콜로니를 선택하여 PCR 산물을 염기서열 분석킷트(Big-Dye sequencing kit)와 염기서열분석기기(ABI377 sequencer, Perkin-Elmer Applied Biosystems, Branchburg, NJ)로 서열분석하였다. 태그서열은 SAGE 300 소프트웨어로 추출하였다.

출원번호: 10-2004-0004308

[0073] <4-1> 생물정보학적 분석

[0074] 참조 SAGE-태그 데이터베이스는 유전자은행(GenBank)에서 대부분의 알려진 생쥐 발현 서열을 나타내는 유니진 생쥐 데이터베이스(UniGene mouse database)로부터 제작하였다. 서열에서 SAGE 태그를 결정하는 조건은 (i) 각각 전사체의 방향성, (ii) 폴리 (A) 신호(AATAAA 또는 ATTAAA)의 존재, (iii) 폴리 (A) 꼬리의 존재, (iv) 서열에서 마지막 CATG 절단 부위의 존재로 하였다. 참조서열로부터 추출된 모든 SAGE 태그는 참조 SAGE 데이터베이스를 구축하는데 사용하였다. 참조 SAGE 데이터베이스(<http://www.hpc1.cs.uchicago.edu/gist>)에 대해서 실험적인 SAGE 태그를 매치하고, 각각의 SAGE 태그에 대응하는 가능한 유전자를 동정하기 위해 컴퓨터 프로그램 SAGEmap(Lash A.E *et al.*, *Genome Res.*, 2000, 10(7):1051-1060)을 이용하였다.

[0075] <4-2> SAGE 프로파일의 정량적인 분포에 따른 클러스터링 분석

[0076] 상기 실시예 <4-1>에서 수행하여 얻은 SAGE 데이터를 NK 세포 분화과정 동안 그들의 다른 발현과 기능적 패턴에 근거하여 클러스터링(clustering)하기 위해 클러스터링 컴퓨터 프로그램(cluster and treeview computer program, <http://rana.lbl.gov>)을 사용하여 분석하였다. 간단히, 각각의 측정 단계에 그들의 빈도에 따라(PERL script available upon request) 파랑, 초록, 노랑, 빨강의 색을 할당하였다. 중간 값은 상응하는 RGB 값에 삽입하였다. 이런 색상화된 가시

출원번호: 10-2004-0004308

적인 검사에 의해 높고 뚜렷한 발현 양상을 보이는 몇몇 태그들이 채택되고, 그들을 패널에서 서로 떨어지게 배치하였다. 다른 태그들은 이웃하는 열들이 유사한 발현양상을 보이고 전체가 점차적인 색상변화를 보이도록 하는 방법으로 재배열하였다.

[0077] HSC, pNK, mNK(-OP) 및 mNK(+OP9) 세포들의 SAGE 프로파일을 이용하여 NK 세포로 분화하는 과정 중에 유전자 발현양상이 증가 또는 감소하는지 분석하였다. 그 결과, 도 3a 내지 도 3f에서 보는 바와 같이 채택된 유전자들을 4개의 다른 군으로 클러스터링되었다. 예를 들어, 도 3a는 HSC에서 발현이 높고 NK세포가 분화됨에 따라 감소하는 유전자군 나타내고, 도 3b 및 도 3c는 각각 pNK세포와 mNK(-OP9) 세포에서 발현이 높은 유전자 군을 나타내며, 도 3d는 발현이 점차적으로 증가하다가 mNK(+OP9) 세포에서 최대의 발현을 보이는 유전자군을 나타내 주었다. 특히, pNK 세포군에서 최대 발현을 나타내는 유전자군(도 3b)은 팀프구 분화 항체, C-C 케모카인 수용체, 종양 괴사 인자 및 인터루킨-18 결합 단백질과 같은 많은 면역 조절 유전자들을 포함하고 있고, 이는 pNK 세포의 분화에 면역 조절자들이 중요하다는 것을 시사한다. 다음에는 공개된 데이터베이스를 기초로, 유전자들을 NK 세포 활성을 조절하는 기능에 따라 분류하였다. 도 3e 및 도 3f는 각각 NK 세포 활성을 저해 및 촉진하는 유전자들을 나타내었다. 많은 경우 이 유전자들은 분화 과정중의 늦은 단계에서 발현된다. 활성화 유전자에는 미토젠(mitogen) 활성화된 단백질 키나제(mitogen activated protein kinase), 포스포리파제 A2(phospholipase A2), IL-2 수용체(IL-2 receptor), 케모카인 수용체(chemokine

출원번호: 10-2004-0004308

receptor)와 같은 많은 신호 분자들이 포함되어 있다.

[0078] <실시예 5> NK 세포 분화 단계별 분화 단계 조절 유전자 분석

[0079] <5-1> NK 세포 분화 단계별 SAGE 라이브러리 제조

[0080] 상기 실시예 4를 통해 SAGE 분석한 결과를 이용하여 각 분화 단계(HSC, pNK, mNK(-OP9), mNK(+OP9))에 있는 NK 세포로부터 4군의 독립적인 SAGE 라이브러리를 만들었다. HSC의 SAGE 라이브러리에서는 전체 44,998개의 태그로부터 19,830개의 특이(unique) 전사체가 동정되었고, 이중에서 12,899개의 특이 유전자가 동정되었다. pNK 세포의 SAGE 라이브러리에서는 전체 40,771개의 태그로부터 17,745개의 특이 전사체가 동정되었고, 이중에서 11,684개의 특이 유전자가 동정되었다. 유사하게 mNK 세포의 SAGE 라이브러리에서는 전체 42,160개의 태그(mNK(-OP9))와 42,535개의 태그(mNK(+OP9))로부터 각각 20,803개 및 20,791개의 특이 전사체가 동정되었고, 이중에서 각각 3,650개 및 14,335개의 특이 유전자가 동정되었다. 전체적으로, 4개의 SAGE 라이브러리로부터 총 170,464개의 태그가 동정되었고, 이로부터 59,657개의 특이 전사체 및 이로부터 35,385개의 특이 유전자가 동정되었다. 59,657개의 특이 전사체 중에서 77.9%는 단일 카피, 16.8%는 2 내지 4 카피, 3.2%는 5 내지 9 카피, 1.9%는 10 내지 99 카피로 나타나고, 오직 0.2%만이 100 카피 이상 나타냈다(표 1).

출원번호: 10-2004-0004308

### 【표 1】

[0081] NK 세포로의 분화 단계별 SAGE 결과

분화단계별 세포	태그수	특이 전사체수	특이 유전자수
HSC	44,998	19,830	12,899
pNK	40,771	17,745	11,684
mNK(-OP9)	42,160	20,803	13,650
mNK(+OP9)	42,535	20,791	14,335
전체	170,464	59,657	35,385

[0082] 또한, 상기 분석된 SAGE 결과로부터 NK 세포 분화에 영향을 미친다고 알려져 있는 유전자들의 발현양상이 그대로 반영되는지 확인하였다. 그 결과, 공지된 바와 같이 그랜자임(Granzyme)(GenBank ID NM\_013542)과 NKG2A(GenBank ID AF106008), 2B4(GenBank ID L19057), Ly49Q(GenBank ID AB033769), CD94(GenBank ID AF057714)와 같은 mNK 세포 수용체들은 mNK 세포에서는 높게 계수되었으나 HSC 와 pNK세포에서는 계수되지 않았다. IL-15(GenBank ID U14332)는 오직 HSC와 pNK 세포에서 검출되고, ID2(GenBank ID BC006951)는 pNK 세포 단계부터 검출됨을 확인하였다(표 2).

### 【표 2】

[0083] 분화 단계 관련 공지 유전자의 SAGE 결과 확인

유전자	HSC	pNK	mNK(-OP9)	mNK(+OP9)
그랜자임	0	0	508	664
NKG2A	0	0	6	3
NK 수용체 2B4	1	0	17	17

출원번호: 10-2004-0004308

NK 수용체 Ly-49Q	0	1	2	6
CD94	0	0	3	1
IL-15	3	3	0	0
Ly49G2	0	0	1	0
ID-2	0	7	5	9

[0084] <5-2> NK세포 분화과정 중 분화단계 특이적으로 발현되는 유전자의 분석

[0085] NK 분화의 각각의 단계에는 서로 구별되는 유전자의 발현 양상이 나타난다고 알려져 있어서 분화단계 특이적으로 유도되는 유전자를 동정하였다. 통계적으로 유의적인 차이를 조사하기 위해 특정 단계에서 적어도 4배 이상 계수되는 유전자군을 표로 만들었다.

[0086] 그 결과, 15개의 유전자가 HSC에서 현저하게 발현되었다(표 3). 그 중에서 인터루킨-1 수용체 연관된 키나제(IRAK)는 NK 세포 활성화와 신호전달에 관여하고, IRAK-결핍 생쥐는 IL-18-유도된 NK 세포 독성의 유도능과 활성화된 NK세포에 의한 IFN- $\gamma$ 의 생성이 심각하게 손상되어있다고 알려져 있어, 본 발명의 분석이 정확하게 되었음을 알 수 있었다.

### 【표 3】

[0087]

유전자명	GenBank ID	HSC	pNK	mNK (-OP9)	mNK (+OP9)
호메오박스 단백질 MIX	AF15457	28	0	0	0
프리-프로-프로티나제 3	U97073	28	0	0	0
マイ엘로블라스토시스 (Myb) 종양유전자	M16499	11	1	0	1

출원번호: 10-2004-0004308

케라틴 콤플렉스 1, 산성, 유전자 13	NM_010662	9	0	0	0
PA-포스파타제 관련된 포스포에스터라제	AK002966	8	0	1	1
인터루킨 1 수용체-연관된 키나제	AK009132	7	0	0	0
γ-파빈	BC011200	6	0	0	0
포크헤드-관련된 전사인자 1C	AF330105	4	1	1	0
RIKEN cDNA 5730501N20 유전자	AK017744	4	1	0	0
c-myc 단백질	X010223	4	0	0	1
리보좀 단백질 L10A	AK002613	4	0	1	0
Oct 2b 유전자	X53654	4	0	0	0
미정	AK015601	4	0	0	0
디하이드로리포아미드 디하이드로게나제	BC003368	4	0	0	0
트라클	U81030	4	0	0	0

[0088]

또한, pNK 세포에서는 30개의 유전자들이 거의 예외적으로 이 단계에서 발현되었다(표 4). 그 중에서, *c-kit* 리간드는 정상적인 수의 완전 분화된 mNK 세포의 생성에 필수적인 신호이며 전구체로부터 NK 세포의 생성이 *c-kit* 신호전달 부재하에서는 감소된다고 알려져 있다. 또한, 2-마이크로글로불린(microglobulin)은 Ly49 수용체 발현의 시작과 NK 세포 분화에 핵심 조절자인 NK 세포 수용체 다양성의 형성에 관여한다고 알려져 있고, 변이된 Fc 수용체의 발현은 NK 세포의 발생과 기능에 영향을 미쳐 순환상의 CD56+CD3- NK 세포의 수를 감소시키고, NK 세포 혈구 감소증(cytopenia)과 임상적으로 중요한 면역 결핍증을 일으킨다고 알려져 있다. 따라서, NK 세포 분화를 조절한다고 공지된 유전자의 발현양상이 정확하게 나타난 것으로 보아 본 발명에서 측정한 결과가 정확함을 알 수 있었다.

출원번호: 10-2004-0004308

【표 4】

[0089]

유전자명	GenBank ID	HSC	pNK	mNK (-OP9)	mNK (+OP9)
라이소자임	BC002069	14	1321	2	3
페리틴 H 체인	BC012314	25	962	7	18
브레비칸	X87096	7	259	1	1
매트릭스 메탈로프로터나제 12	BC019135	0	69	0	0
EIA-자극된 유전자의 세포적 억제제	AF084524	5	45	7	1
c-kit 리간드	M64262	0	62	0	0
S100 칼슘 결합 단백질 A9	BC027635	1	42	0	1
MPS1 단백질	L20315	1	35	0	0
트랜스글루타미나제 2	BC016492	0	25	1	1
헬청 및 글루코코티코이드 조절된	AF139639	0	20	0	0
단백질 키나제					
RIKEN cDNA 5830413L19	BC027496	0	18	0	0
β2-마이크로글로불린 mRNA	M10416	0	17	0	0
인터페론-유도된 단백질	BC003804	0	17	0	0
유지방 글로불 막단백질 EGF 인자 8	BC018577	3	16	0	1
Fc γ 수용체	M14215	3	15	1	1
세포-표면 당단백질 p91	U83172	0	13	0	1
아르기나제 1	BC050005	0	12	0	0
종양괴사 인자 수용체 1	M59378	1	12	0	2
레티노이드-유도성 세린 카복시펩티다제	AF330052	2	11	0	0
가설의 단백질 FLJ11000 유사	BC023802	0	11	2	0
인터루킨-18 결합 단백질 d 전구체	AF110803	0	10	0	0
클로라이드 채널 7	AK009435	0	9	1	0
CD36 항원	BC010262	0	8	0	0
잠정적 아연 평거 단백질 유사	BC030186	1	8	1	0
카보하이드레이트 결합 단백질 35	J03723	0	7	3	0
C형 칼슘 의존, 카보하이드레이트	BC003218	0	7	0	0
리포단백질 리파제	NM_008509	0	7	0	0
v-maf 근건막 섬유육종 종양유전자	BC038256	0	6	0	0
인터루킨 7 수용체	NM_008372	0	5	0	0
키모카인(C-C) 수용체 1	BC011092	0	5	0	0
뉴로필린(MGD MGI:106206)	AK002673	0	5	0	0

[0090]

한편, mNK 세포로부터는 27개의 유전자가 선택되었다(표 5). 그 중 Src 패밀리 티로신 키나제 Fyn은 NK 세포 활성화와 관련이 있다고 알려져 있다.

출원번호: 10-2004-0004308

【표 5】

[0091]

유전자명	GenBank ID	HSC	pNK	mNK (-OP9)	mNK (+OP9)
SERPINA3G	XM_127137	2	0	29	45
GABA-A 수용체 소단위 6	X51986	0	0	16	44
LAPTm5	U51239	5	4	18	25
G-단백질 신호 조절제	BC049968	0	0	0	17
데코이-촉진 인자 GPI 고정된 mRNA	L41366	0	0	0	12
Y 박스 단백질 3	AK019465	0	0	10	17
오스테오폰틴 전구체	J04806	0	1	2	14
아밀로이드 $\beta$ (A4) 전구체 단백질-결합, 페밀리	AK021331	2	0	5	12
T 세포 수용체 $\beta$ 소단위 변형	U63547	0	0	8	11
면역 연관된 뉴크레오타이드 1	BC005577	0	0	9	0
상위단계 전사 인자 1	NM_009480	0	1	0	8
후각 수용체 MOR267-7	NM_146714	0	0	0	8
림프구 특이적 단백질 티로신 키나제	M12056	0	0	7	1
파골세포종 억제 인자	AB013898	1	1	0	7
헬소판 활성 수용체 상동 유사	BC024054	0	1	3	7
자연살해 세포 단백질군 2-A1	AF016008	0	0	3	6
가설의 단백질 MGC36662	BC023851	0	1	2	6
세마포린 6A 전구체 유사	AK004390	0	0	6	2
Fyn 프로토-종양유전자	BC032149	0	0	5	5
뉴로필라멘트 유사, 중 폴리펩타이드	BC025872	0	0	2	5
코로닌 유사, 액틴 결합 단백질 2A	BC026634	1	1	6	2
솔루트 전달 페밀리 6	BC015245	1	1	6	5
감정적 퓨린성 수용체 P2Y10 상동	AK020001	0	0	5	4
T 세포 수용체 감마 체인	X03802	0	1	5	4
폴리 A 폴리머라제 알파	NM_011112	0	0	5	3
OPA-연관 단백질 OIP5 유사	AK017825	0	0	5	1
미토젠 활성화된 단백질 키나제 1 유사	BC006708	1	0	5	4

[0092]

<실시예 6> RT-PCR 수행을 통한 유전자 발현 양상 분석

[0093]

SAGE 데이터로부터 다른 유전자의 발현 양상을 확인하기 위해 반정량적 (semiquantitative) RT-PCR을 수행하였다. 발현을 확인하고자 하는 유전자에 따라 하기와 같은 프라이머를 작성하여 RT-PCR을 수행하였다. 모든 PCR 혼합물은 95°C에서 1분간 가열하고, HSC와 mNK 세포에 대해서는 95°C 1분, 55°C에서 1분, 72°C에

출원번호: 10-2004-0004308

서 2분의 조건으로, NK 전구체 세포에 대해서는 95°C 1분, 60°C에서 1분, 72°C에서 2분으로 28회 또는 32회로 PCR을 행하고, 72°C에서 10분 더 확장반응 시킨 다음 증폭된 PCR 산물을 전기영동하여 에티듐 브로마이드 염색으로 확인하였다.

[0094]  $\gamma$ -파빈( $\gamma$ -parvin): 서열번호 3 및 서열번호 4,

[0095] 포크헤드-관련 전사인자 1c(Forkhead-related transcription factor 1c, Foxp1c): 서열번호 5 및 서열번호 6,

[0096] c-myc 단백질: 서열번호 7 및 서열번호 8,

[0097] 케라틴 컴플렉스(keratin complex, KC) 1: 서열번호 9 및 서열번호 10,

[0098] PA-포스파타제 관련 포스포에스터라제(phosphatase related phosphoesterase, PA-PRP): 서열번호 11 및 서열번호 12,

[0099] 인터루킨 1 수용체 연관된 키나제(interleukin 1 receptor-associated kinase, IRAK): 서열번호 13 및 서열번호 14,

[0100] 리보솜 단백질(ribosomal protein) L10A: 서열번호 15 및 서열번호 16,

[0101] 프리-프로-프로티나제(pre-pro-proteinase) 3: 서열번호 17 및 서열번호 18,

[0102] 마이엘로블라스토시스 옹코진(myeloblastosis oncogene): 서열번호 19 및 서열번호 20,

[0103] 카보하이드레이트 결합 단백질(carbohydrate binding protein, CBP) 35: 서열번호 21 및 서열번호 22,

[0104] IL-7 수용체: 서열번호 23 및 서열번호 24,

출원번호: 10-2004-0004308

[0105] 리포단백질 리파제(lipoprotein lipase, LPL): 서열번호 25 및 서열번호 26,

[0106] 페리틴 H 체인: 서열번호 27 및 서열번호 28,

[0107] 매트릭스 메탈로프로테인аз(matrix metalloproteinase, MMP) 12: 서열번호 29 및 서열번호 30,

[0108] G-단백질 신호 조절제(regulator of G-protein signaling, RGS): 서열번호 31 및 서열번호 32,

[0109] 서피나3G(SerpinA3G): 서열번호 33 및 서열번호 34,

[0110] 퓨리너직 수용체(purinergic receptor) P2Y: 서열번호 35 및 서열번호 36,

[0111] 림프구-특이적 단백질 티로신 키나제(PTK): 서열번호 37 및 서열번호 38,

[0112] 세마포린 6A 전구체(semaphorin 6A precursor): 서열번호 39 및 서열번호 40,

[0113] CD122: 서열번호 41 및 서열번호 42,

[0114] 퍼포린(perforin): 서열번호 43 및 서열번호 44,

[0115]  $\beta$ -액틴( $\beta$ -actin): 서열번호 45 및 서열번호 46

[0116] 그 결과, HSC에서는  $\gamma$ -파빈, 포크헤드-관련된 전사 인자 1C(Foxp1C), c-myc 및 프리-프로-프로테인аз 3 등 9개의 유전자가 선택적으로 발현되었다(도 4a). pNK세포에서는 예외적으로 IL-7R과 매트릭스 메탈로프로테인аз(MMP12)가 발현되었다(도 4b). mNK 세포에서는 퓨리너직 수용체 P2Y10와 림프구-특이적 PTK가 예외적

출원번호: 10-2004-0004308  
으로 발현함을 확인하였다(도 4c).

[0117] <실시예 7> LPL이 NK 세포 분화과정에 미치는 영향 확인

[0118] 상기 실시예 4의 결과를 통해, NK 세포 분화과정 중 분화단계 특이적으로 발현되는 유전자 중에 서열번호 47로 기재되는 리포단백질 리파제(이하 'LPL'이라 약칭함)가 NK 세포 분화 과정중에 pNK 세포에서 과량 발현됨을 확인하였다. LPL은 NK세포의 증식을 촉진시키고, 자발적인 세포독성(spontaneous cytotoxicity)과 림포카인 활성화된 킬러(lymphokine-activated killer, LAK) 활성을 저해시킨다고 알려져 있다. 이에, LPL의 pNK-특이적인 발현이 mNK 세포로의 분화에 요구되는지를 알아보기 위해, HSC를 6일간 초기 배양한 후, OP9 간질 세포의 부재하에 IL-15와 함께 LPL을 처리하여 NK 세포 비율을 측정하였다.

[0119] 그 결과, IL-15을 단독으로 처리하여 배양한 것에 비해 LPL과 함께 처리했을 때 NK 세포 비율이 점차적으로 증가되었다(NK1.1+ NKG2A/C/E+ 세포; IL-15 단독처리에서는 50% 존재 *versus* IL-15와 LPL 250 ng/ml 및 IL-15와 LPL 500 ng/ml 처리에서는 각각 71% 및 86% 존재)(도 4d). 따라서, 상기 결과로부터 pNK세포에서 mNK 세포로의 분화에 LPL이 중요한 역할을 함을 알 수 있었고, 이를 통해 본 발명에서 NK 세포 분화 조절 유전자를 탐색한 결과는 정확한 결과임을 알 수 있었다.

출원번호: 10-2004-0004308

**【발명의 효과】**

[0120] 상기에서 살펴본 바와 같이, 출기 세포에서 자연살해 세포로의 분화 조절에 관련된 기능을 하는 유전자들을 탐색하고, SAGE 분석 방법을 이용하면 상기와 같이 기존에 알려지지 않은 기능을 하는 유전자를 손쉽게 탐색할 수 있음을 밝힘으로써 본 발명을 완성하였다.

【특허청구범위】

【청구항 1】

호메오박스 단백질 MIX(AF15457), 프리-프로-프로티나제 3(U97073), 마이엘로블라스토시스 (Myb) 종양유전자(M16499), 케라틴 콤플렉스 1, 산성, 유전자 13(NM\_010662), PA-포스파타제 관련된 포스포에스터라제(AK002966), γ-파빈 (BC011200), 포크헤드-관련된 전사인자 1C(AF330105), RIKEN cDNA 5730501N20 유전자(AK017744), c-myc 단백질(X010223), 리보좀 단백질 L10A(AK002613), Oct 2b 유전자(X53654), 미정(AK015601), 디하이드로리포아미드 디하이드로게나제 (BC003368), 트라클(U81030), 라이소자임(BC002069), 페리틴 H 체인(BC012314), 브레비칸(X87096), 매트릭스 메탈로프로티나제 12(BC019135), EIA-자극된 유전자의 세포적 억제제(AF084524), S100 칼슘 결합 단백질 A9(BC027635), MPS1 단백질 (L20315), 트랜스글루타미나제 2(BC016492), 혈청 및 글루코코티코이드 조절된 단백질 키나제(AF139639), RIKEN cDNA 5830413L19(BC027496), 인터페론-유도된 단백질(BC003804), 유지방 글로불 막단백질 EGF 인자 8(BC018577), 세포-표면 당단백질 p91(U83172), 아르기나제 1(BC050005), 종양괴사 인자 수용체 1(M59378), 레티노이드-유도성 세린 카복시펩티다제(AF330052), 가설의 단백질 FLJ11000 유사(BC023802), 인터루킨-18 결합 단백질 d 전구체(AF110803), 클로라이드 채널 7(AK009435), CD36 항원(BC010262), 잠정적 아연 평거 단백질 유사(BC030186), 카보하이드레이트 결합 단백질 35(J03723), C형 칼슘 의존, 카보하이드레이트

출원번호: 10-2004-0004308  
(BC003218), 리포단백질 리파제(NM\_008509), v-maf 근건막 섬유육종 종양유전자  
(BC038256), 인터루킨 7 수용체(NM\_008372), 키모카인(C-C) 수용체 1(BC011092),  
뉴로필린(MGD|MGI:106206)(AK002673), SERPINA3G(XM\_127137), GABA-A 수용체 소단  
위 6(X51986), LAPTm5(U51239), G-단백질 신호 조절제(BC049968), 데코이-촉진 인  
자 GPI 고정된 mRNA(L41366), Y 박스 단백질 3(AK019465), 오스테오포틴 전구체  
(J04806), 아밀로이드  $\beta$  (A4) 전구체 단백질-결합, 패밀리(AK021331), T 세포 수용  
체  $\beta$  소단위 변형(U63547), 면역 연관된 뉴크레오타이드 1(BC005577), 상위단계  
전사 인자 1(NM\_009480), 후각 수용체 MOR267-7(NM\_146714), 림프구 특이적 단백질  
티로신 키나제(M12056), 파골세포종 억제 인자(AB013898), 혈소판 활성 수용체 상  
동 유사(BC024054), 자연살해 세포 단백질군 2-A1(AF016008), 가설의 단백질  
MGC36662(BC023851), 세마포린 6A 전구체 유사(AK004390), 뉴로필라멘트 유사, 중  
풀리펩타이드(BC025872), 코로닌 유사, 액틴 결합 단백질 2A(BC026634), 솔루트 전  
달 패밀리 6(BC015245), 잠정적 퓨린성 수용체 P2Y10 상동(AK020001), T 세포 수용  
체 감마 체인(X03802), 폴리 A 폴리머라제 알파(NM\_011112), OPA-연관 단백질 OIP5  
유사(AK017825), 미토젠 활성화된 단백질 키나제 1 유사(BC006708)로 구성된 군으  
로부터 선택되는 하나 이상의 유전자를 유효성분으로 포함하는 줄기 세포에서 자연  
살해 세포로의 분화 조절제.

출원번호: 10-2004-0004308

### 【청구항 2】

호메오박스 단백질 MIX(AF15457), 프리-프로-프로티나제 3(U97073), 마이엘로블라스토시스 (Myb) 종양유전자(M16499), 케라틴 콤플렉스 1, 산성, 유전자 13(NM\_010662), PA-포스파타제 관련된 포스포에스터라제(AK002966), γ-파빈 (BC011200), 포크헤드-관련된 전사인자 1C(AF330105), RIKEN cDNA 5730501N20 유전자(AK017744), c-myc 단백질(X010223), 리보좀 단백질 L10A(AK002613), Oct 2b 유전자(X53654), 미정(AK015601), 디하이드로리포아미드 디하이드로게나제 (BC003368), 트라클(U81030)로 구성된 군으로부터 선택되는 하나 이상의 유전자를 포함하는 것을 특징으로 하는 줄기세포에서 전구 자연살해 세포로의 분화 조절제.

### 【청구항 3】

라이소자임(BC002069), 폐리틴 H 체인(BC012314), 브래비칸(X87096), 매트릭스 메탈로프로티나제 12(BC019135), EIA-자극된 유전자의 세포적 억제제 (AF084524), S100 칼슘 결합 단백질 A9(BC027635), MPS1 단백질(L20315), 트랜스글루타미나제 2(BC016492), 혈청 및 글루코코티코이드 조절된 단백질 키나제 (AF139639), RIKEN cDNA 5830413L19(BC027496), 인터페론-유도된 단백질 (BC003804), 유지방 글로불 막단백질 EGF 인자 8(BC018577), 세포-표면 당단백질 p91(U83172), 아르기나제 1(BC050005), 종양괴사 인자 수용체 1(M59378), 레티노이드-유도성 세린 카복시펩티다제(AF330052), 가설의 단백질 FLJ11000 유사

출원번호: 10-2004-0004308  
(BC023802), 인터루킨-18 결합 단백질 d 전구체(AF110803), 클로라이드 채널 7(AK009435), CD36 항원(BC010262), 잠정적 아연 평거 단백질 유사(BC030186), 카보하이드레이트 결합 단백질 35(J03723), C형 칼슘 의존, 카보하이드레이트 (BC003218), 리포단백질 리파제(NM\_008509), v-maf 근건막 섬유육종 종양유전자 (BC038256), 인터루킨 7 수용체(NM\_008372), 키모카인(C-C) 수용체 1(BC011092), 뉴로필린(MGD|MGI:106206)(AK002673)로 구성된 군으로부터 선택되는 하나 이상의 유전자를 유효성분으로 포함하는 것을 특징으로 하는 전구 자연살해 세포로부터 성숙 자연살해 세포로의 분화 조절제.

#### 【청구항 4】

SERPINA3G(XM\_127137), GABA-A 수용체 소단위 6(X51986), LAPTm5(U51239), G-단백질 신호 조절제(BC049968), 데코이-촉진 인자 GPI 고정된 mRNA(L41366), Y 박스 단백질 3(AK019465), 오스테오폰틴 전구체(J04806), 아밀로이드  $\beta$  (A4) 전구체 단백질-결합, 패밀리(AK021331), T 세포 수용체  $\beta$  소단위 변형(U63547), 면역 연관된 뉴크레오타이드 1(BC005577), 상위단계 전사 인자 1(NM\_009480), 후각 수용체 MOR267-7(NM\_146714), 림프구 특이적 단백질 티로신 키나제(M12056), 파골세포 종 억제 인자(AB013898), 혈소판 활성 수용체 상동 유사(BC024054), 자연살해 세포 단백질군 2-A1(AF016008), 가설의 단백질 MGC36662(BC023851), 세마포린 6A 전구체 유사(AK004390), 뉴로필라멘트 유사, 중 폴리펩타이드(BC025872), 코로닌 유사, 액틴 결합 단백질 2A(BC026634), 솔루트 전달 패밀리 6(BC015245), 잠정적 퓨린성 수

출원번호: 10-2004-0004308  
용체 P2Y10 상동(AK020001), T 세포 수용체 감마 체인(X03802), 폴리 A 폴리머라제  
알파(NM\_011112), OPA-연관 단백질 OIP5 유사(AK017825), 미토젠 활성화된 단백질  
키나제 1 유사(BC006708)로 구성된 군으로부터 선택되는 하나 이상의 유전자를 유  
효성분으로 포함하는 것을 특징으로 하는 성숙 자연살해 세포의 분화 조절제.

### 【청구항 5】

제 1항 내지 제 4항 중 어느 한항에 있어서, 상기 분화 조절제는 항암용으로  
이용하는 것을 특징으로 하는 세포 분화 조절제.

### 【청구항 6】

제 5항에 있어서, 상기 암은 유방암, 흑색종암 및 폐암으로 구성된 군으로부  
터 선택되는 것을 특징으로 하는 세포 분화 조절제.

### 【청구항 7】

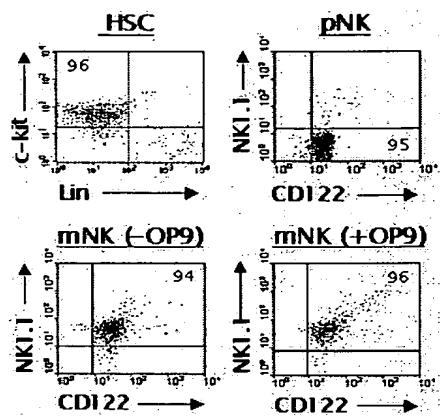
- 1) 세포로부터 전체 RNA를 분리하여 cDNA를 합성하는 단계;
- 2) 단계 1의 cDNA를 절단하여 태그를 분리하는 단계;
- 3) 단계 2에서 분리한 태그 각각을 연결한 후 염기서열을 분석하는 단계; 및
- 4) 단계 3에서 분석한 염기서열을 SAGE(Serial Analysis of Gene expression) 분석 프로그램을 사용해 발현량을 측정하는 단계를 포함하는 것을 특

출원번호: 10-2004-0004308

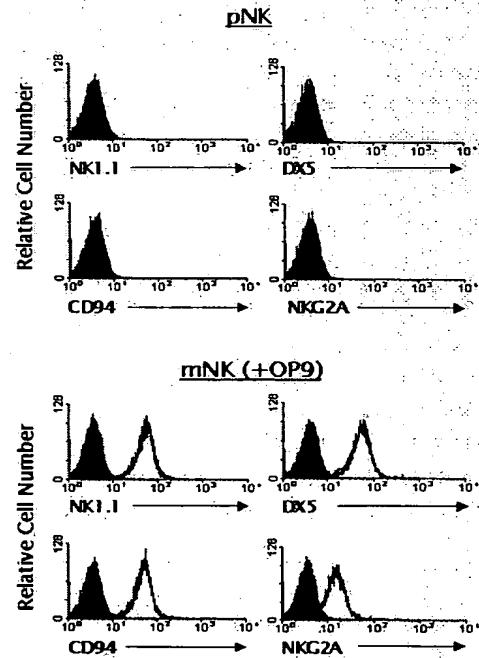
징으로 하는 줄기 세포로부터 자연살해 세포로의 분화 조절용 유전자를 스크리닝하는 방법.

【도면】

【도 1a】

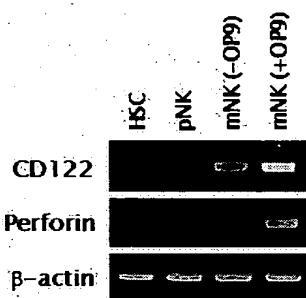


【도 1b】



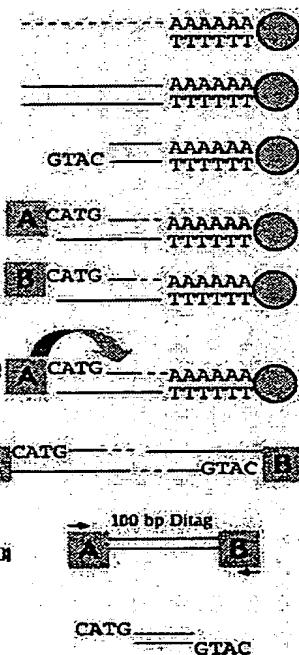
출원번호: 10-2004-0004308

【도 1c】

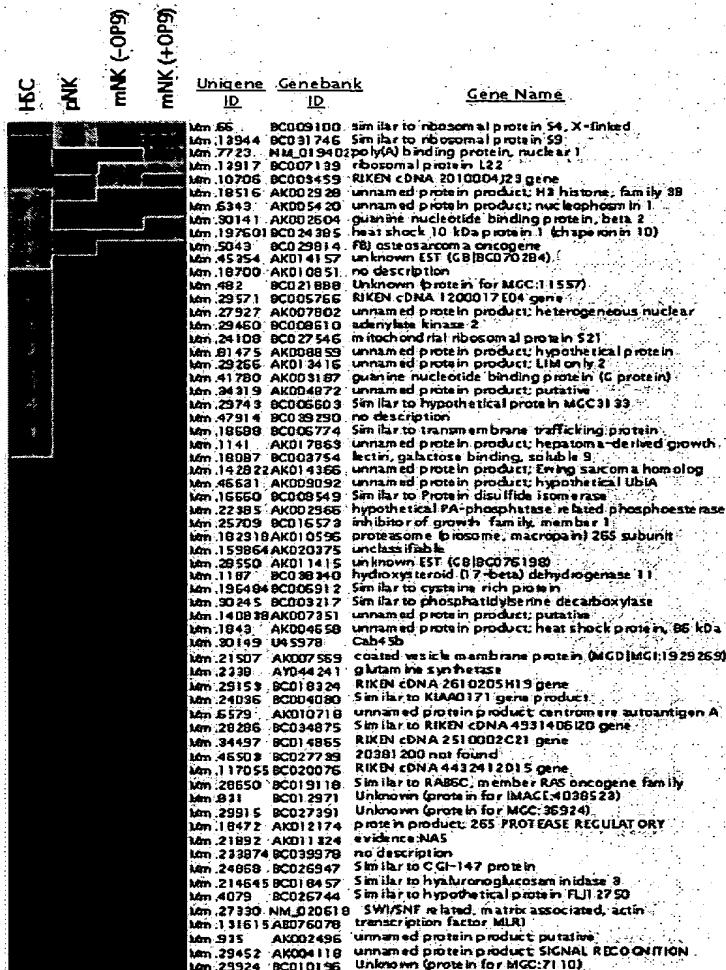


【도 2】

1. 올리고 dT 자식 비드로 RNA 샘플을 결합
2. 미증 가득 cDNA의 합성
3. NlaIII로 절단하여 하나의 대그 막판 형성
4. 포함하는 아밀터 A, 아밀터 B로 샘플의 절반씩을 연결
5. BsmFI로 절단하여 ~50bp 대그 형성 (~40bp 아밀터/14bp 대그)
6. 5' 오버랩을 제외시  
→ 100bp의 대그 형성
7. 미증대그 프라이머 1 및 2를 사용하여 PCR 증폭
8. NlaIII로 40bp 아밀터를 절단하여 26bp 미증대그 생산



## 【도 3a】



## 【도 3b】

HSC	PNK	mNK (-OP9)	mNK (+OP9)	Unigene ID	Genebank ID	Gene Name
				Mm_1583	M18466	lymphocyte differentiation antigen
				Mm_4235	M54262	c-kit ligand
				Mm_3995	L20315	MPS1 protein
				Mm_149755	BC027229	Similar to bovine marrow stromal cell antigen 2
				Mm_16251	AK008429	unnamed protein product; proteasome
				Mm_4560	BC032170	Unknown (protein for IMAGE:5346882)
				Mm_30111	BC038025	Unknown (protein for IMAGE:3866357)
				Mm_159648	BC027496	RIKEN cDNA:5830413L19 gene
				Mm_163	M10416	beta-2 microglobulin RNA
				Mm_1508	BC002055	Similar to benzodiazepine receptor, peripheral
				Mm_30071	AK013963	unnamed protein product; lysosomal-associated
				Mm_19705	AK019964	unnamed protein product; putative
				Mm_24045	AK010906	unnamed protein product; putative
				Mm_14302	D8848	C-C chemokine receptor 5
				Mm_29586	AK011545	BRAIN ACID SOLUBLE PROTEIN 1 (BASP1) PROTEIN
				Mm_3189	UB3172	cell-surface glycoprotein p91
				Mm_10809	BC038070	Similar to Fc receptor IgG, low affinity IIb
				Mm_15571	X59379	no description
				Mm_9277	AK005158	unnamed protein product; phospholipase A2 group VI
				Mm_2665	M59378	tumor necrosis factor receptor 1
				Mm_46356	BC02802	Similar to hypothetical protein FLJ11000
				Mm_94126	AF230052	retinoid-inducible serine carboxypeptidase
				Mm_235	BC019950	ubiquitin 9
				Mm_3074	AK007265	unnamed protein product; putative
				Mm_68349	AK014282	protein product; SMALL MEMBRANE PROTEIN 1
				Mm_45579	AF110803	interleukin-18 binding protein precursor
				Mm_31178	BC037615	Ras-related GTP-binding protein ragA
				Mm_30270	BC001582	proteasome (prosome; macropain) subunit, alpha
				Mm_22727	AK009485	chloride channel 7 (MCD [MGI:1247048])
				Mm_205022	BC030185	Similar to putative zinc finger protein
				Mm_57075	BC010476	RIKEN cDNA:1600014C10 gene
				Mm_1914	U13271	unknown
				Mm_195934	AK007777	unnamed protein product; B cell phosphoinositide
				Mm_2970	J03723	carbohydrate binding protein 35
				Mm_15110	AK021301	unnamed protein product; PROTEIN HSPC163 homolog
				Mm_220949	BC002092	v-maf musculoaponeurotic fibrosarcoma oncogene
				Mm_20337	AK014605	HYPOTHETICAL HEART PROTEIN (FRAGMENT)
				Mm_1387	NM_017982	RAB11a, member RAS oncogene family
				Mm_45161	AK009377	unnamed protein product; putative
				Mm_39281	BC031464	RIKEN cDNA:5830498C14 gene
				Mm_167842	BC012567	Similar to integrin-associated protein
				Mm_29717	BC008129	14-3-3 protein gamma-subtype
				Mm_153911	AK009211	unnamed protein product plastin 2
				Mm_22711	BC003290	cyclin I
				Mm_1374	Z36239	slc4a6
				Mm_205010	BC014875	Unknown (protein for MGC 5920)
				Mm_29194	AK007070	POTASSIUM CHANNEL MODULATORY FACTOR homolog
				Mm_35389	AK005336	unnamed protein product; cytochrome c, somatic
				Mm_27300	BC019427	Similar to hydroxysteroid 17-beta dehydrogenase
				Mm_195290	BC027371	Similar to RIKEN cDNA:4920434H03 gene

출원번호: 10-2004-0004308

【도 3c】

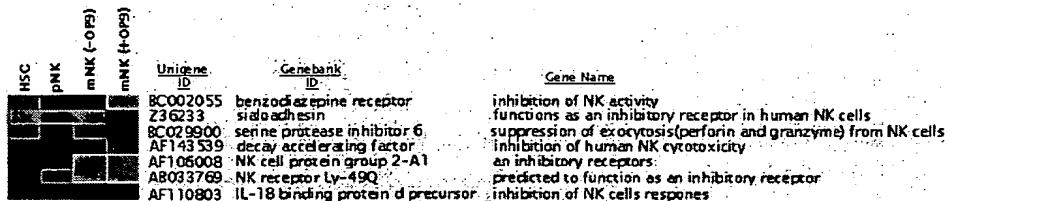
HSC	pNK	mNK (-OPG)	mNK (+OPG)	Unigene ID	Genebank ID	Gene Name
				Mm_13020	NM_009438	ribosomal protein L13a
				Mm_15085	BC020265	Unknown (protein for MGC5156)
				Mm_20149	AK012394	unknown EST (G3AW555945)
				Mm_213045	BC023908	Similar to hemoglobin nucleic
				Mm_221288	BC026949	Similar to RIKEN cDNA SD30524-G23 gene
				Mm_1034	BC005605	protein phosphatase 2 (formerly 1A), regulatory
				Mm_899	BC003928	Similar to RAS-related G3 botulinum substrate 1
				Mm_30864	BC004747	Similar to Kruppel associated box (KRB) zinc
				Mm_196581	BC005708	Similar to mitogen activated protein kinase 1
				Mm_22435	BC003951	Similar to RIKEN cDNA S730410D03 gene
				Mm_200510	BC015245	solute carrier family 6 (neurotransmitter)
				Mm_22505	BC027314	G7e- protein
				Mm_20491	AB041659	hypothetical protein
				Mm_15837	AK005111	weakly similar to PP1 DB5 (Homo sapiens)
				Mm_22570	AK004719	unnamed protein product; putative
				Mm_171547	BC026564	Similar to coronin, actin binding protein 2A
				Mm_148782	BC010215	predicted homology domain-containing, family A
				Mm_59577	AK017659	unnamed protein product; hypothetical Serine-rich
				Mm_14145	X03802	T-cell receptor gamma chain
				Mm_22061	BC025800	sim 1 domain, immunoglobulin domain (Ig)
				Mm_2389	L17069	All-1 protein
				Mm_15479	NM_013543	estradiol 17 beta dehydrogenase 8
				Mm_27094	AK009219	unnamed protein product; NUCLEAR PROTEIN SKIP
				Mm_69049	AF155546	hypothetical protein
				Mm_21606	AB046114	reticulin 3
				Mm_12193	BC003885	Similar to 60S ribosomal protein L30 isoform

【도 3d】

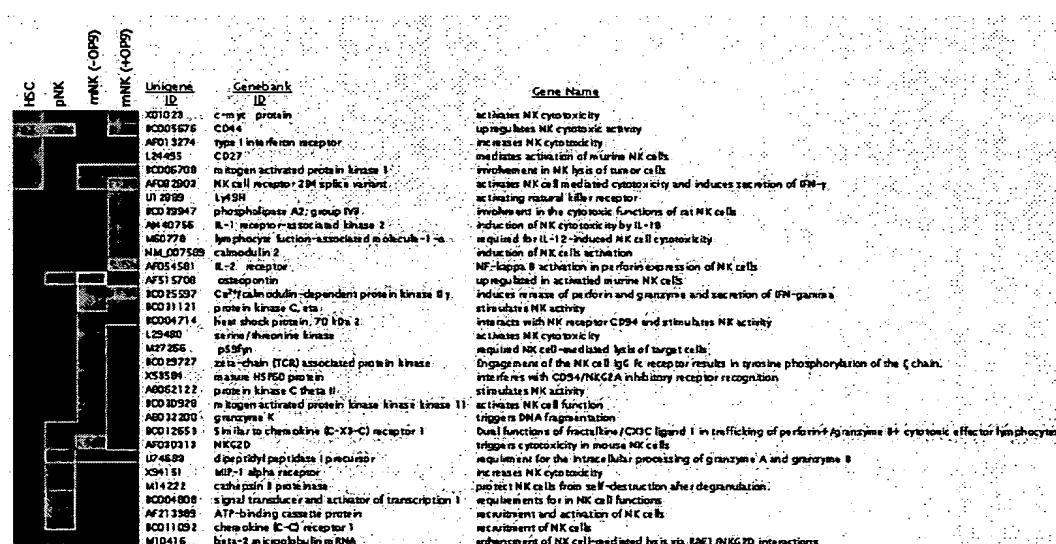
HSC	pNK	mNK (-OPG)	mNK (+OPG)	Unigene ID	Genebank ID	Gene Name
				Mm_29911	AK014294	unnamed protein product; RIBOSOMAL PROTEIN S27
				Mm_41746	BC010567	Similar to RNA polymerase II transcriptional
				Mm_13885	BC010791	suppressor of initiator codon mutations
				Mm_175612	AF467251	cyclophilin-5a
				Mm_321	AF515708	cyclophilin
				Mm_20349	BC013640	Similar to MIP65 protein
				Mm_195615	AK019465	Ybox protein 3 (MCD/MG11056351)
				Mm_14255	AK021231	sim 100% (44) precursor protein-binding, family
				Mm_216195	AF486451	(from a Homo sapiens macrophage cell line infected
				Mm_20193	AK021021	unnamed protein product; hypothetical protein
				Mm_205080	BC021898	Similar to eukaryotic translation initiation
				Mm_9705	AK012612	Unknown EST (G3BAU080327)
				Mm_141915	AK008570	unnamed protein product; putative
				Mm_204290	BC011205	Unknown (protein for MGC72004)
				Mm_27800	BC026858	CUG triplet repeat, RNA binding protein 2
				Mm_195585	BC022805	Similar to SKB1 homolog 6, pombe
				Mm_3380	AK014530	unnamed protein product; KINESIN HEAVY CHAIN
				Mm_128648	BC024054	Similar to platelet activating receptor homolog
				Mm_3420	D8B117	no description
				Mm_4143	D8B168	acid lung fibroblast cell line established by SV40
				Mm_148830	BC013516	alpha actinin 4
				Mm_205421	BC022140	Unknown (protein for IMAGE5101040)
				Mm_20428	BC005676	Similar to Cell surface glycoprotein CD44
				Mm_10702	AK013924	calcyclin binding protein (MGC270839)
				Mm_30177	AK004888	unnamed protein product; hypothetical protein
				Mm_59573	AK011125	unnamed protein product; hypothetical Tip-Aep (M0)
				Mm_108551	AK016402	unnamed protein product; putative
				Mm_27818	BC002233	Unknown (protein for IMAGE3491494)
				Mm_4948	BC032149	syn proto-oncogene
				Mm_88061	AK018031	unnamed protein product; putative
				Mm_154508	AK014474	unnamed protein product; hypothetical Vacuolar
				Mm_27194	AK008430	DNA segment, Chr 7, Roswell Park 2 complex
				Mm_22358	AK008637	DNA-DIRECTED RNA POLYMERASES B1 12.5 KDa
				Mm_41760	BC010484	signal peptidase complex (18kD)
				Mm_200372	BC019444	coatomer, actin binding protein 1C

출원번호 : 10-2004-0004308

【도 3e】

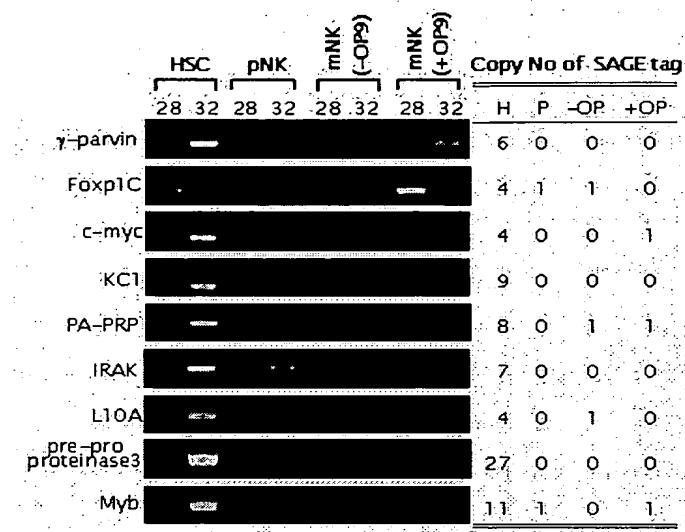


【도 3f】

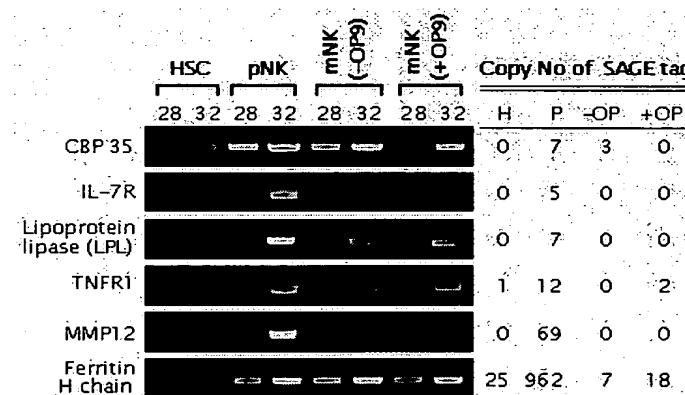


출원번호: 10-2004-0004308

【도 4a】

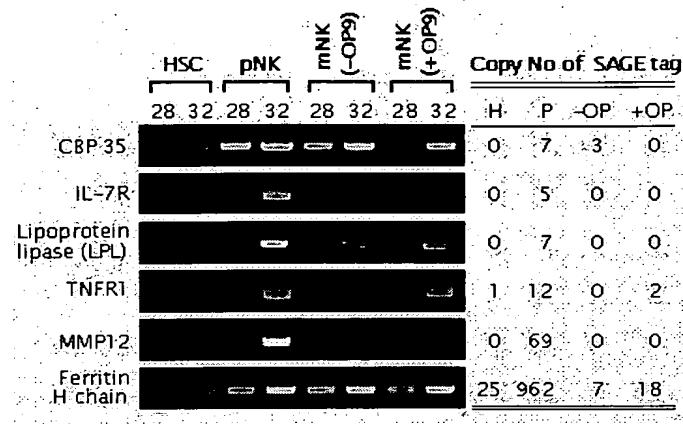


【도 4b】

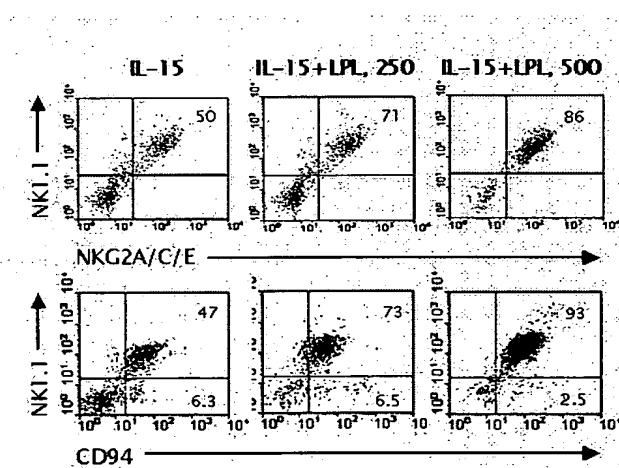


출원번호: 10-2004-0004308

【도 4c】



【도 4d】



【서열목록】

<110> Korea Research Institute of Bioscience and Biotechnology <120> Differentiation regulating agent containing gene which regulating differentiation from stem cell to natural killer cell as effective ingradient <130> 4p-01-08 <160> 48 <170> KopatentIn 1.71 <210>  
<121> 16 <212> DNA <213> Artificial Sequence <220> <223> M13 forward primer <400>  
16 <212> DNA <213> Artificial Sequence <220> <223> M13 reverse primer <400> 26 caaaagggtc  
agtgtc <210> 36 <211> 20 <212>  
DNA <213> Artificial Sequence <220> <223> forward primer for gamma-parvin <400> 36 ctctgaagga  
cccagcagtc <210> 46 <211> 20 <212>

출원번호: 10-2004-0004308

DNA<213>	Artificial Sequence<220><223>	reverse primer for gamma-parvin<400>	4gcagctgtag	
ggatagccgt		20<210>	5<211>	20<212>
DNA<213>	Artificial Sequence<220><223>	forward primer for Foxp1c<400>	5cgaatctcca	
gaaaagcagc		20<210>	6<211>	20<212>
DNA<213>	Artificial Sequence<220><223>	reverse primer for Foxp1c<400>	6aaatctggac	
tgtggttggc		20<210>	7<211>	20<212>
DNA<213>	Artificial Sequence<220><223>	forward primer for c-myc<400>	7gcccagtggag	
gatatctgga		20<210>	8<211>	20<212>
DNA<213>	Artificial Sequence<220><223>	reverse primer for c-myc<400>	8gaatcgacg	
aggatcagga		20<210>	9<211>	20<212>
DNA<213>	Artificial Sequence<220><223>	forward primer for KC1<400>	9ggcaacgaga	
agatcaccat		20<210>	10<211>	20<212>
DNA<213>	Artificial Sequence<220><223>	reverse primer for KC1<400>	10ccacattgac	
ctggcctact		20<210>	11<211>	20<212>
DNA<213>	Artificial Sequence<220><223>	forward primer for PA-PRP<400>	11cttattgttg	
gtgctgccct		20<210>	12<211>	20<212>
DNA<213>	Artificial Sequence<220><223>	reverse primer for PA-PRP<400>	12gggtggtcga	
ggagtgttgt		20<210>	13<211>	20<212>
DNA<213>	Artificial Sequence<220><223>	forward primer for IRAK<400>	13gaaggcttc	
cagatagcag		20<210>	14<211>	20<212>
DNA<213>	Artificial Sequence<220><223>	reverse primer for IRAK<400>	14gcaagacaag	
aaagcaaggg		20<210>	15<211>	20<212>
DNA<213>	Artificial Sequence<220><223>	forward primer for L10A<400>	15cacacattgg	
gttcacaac		20<210>	16<211>	20<212>
DNA<213>	Artificial Sequence<220><223>	reverse primer for L10A<400>	16tgagttcaca	
ttccagcagc		20<210>	17<211>	20<212>
DNA<213>	Artificial Sequence<220><223>	forward primer for pre-pro-proteinase	3<400>	
17acgtgcttct cctccagcta			20<210>	18<211>
20<212>	DNA<213>	Artificial Sequence<220><223>	reverse primer for pre-pro-proteinase	
3<400>	18aggaaacaga gctgactcca			20<210>
19<211>	20<212>	DNA<213>	Artificial Sequence<220><223>	forward primer for
myeloblastosis	oncogene<400>		19gaagaaagtg	cctcaccagc
20<210>	20<211>	20<212>	DNA<213>	Artificial Sequence<220><223>
primer	for	myeloblastosis	oncogene<400>	reverse
		20<210>	21<211>	20<212>
		DNA<213>	Artificial Sequence<220><223>	20gttcaagaac
forward	primer	for	CBP35<400>	tgcgagggag
20<210>	22<211>	20<212>	DNA<213>	Artificial Sequence<220><223>
primer	for	CBP35<400>		21ctccctctag
20<210>	23<211>	20<212>	DNA<213>	Artificial Sequence<220><223>
IL-7	receptor<400>			22gtcacgactg
20<210>	24<211>	20<212>	DNA<213>	forward primer for
IL-7	receptor<400>		Artificial Sequence<220><223>	23tgccagattc
				atgaggtgaa
			Artificial Sequence<220><223>	reverse primer for
			24ggagagcaag	cattccagac

출원번호: 10-2004-0004308

20<210> 25<211> 20<212> DNA<213> Artificial Sequence<220><223> forward primer for  
LPL<400> 25cagttggcc taacttttag 20<210>  
26<211> 20<212> DNA<213> Artificial Sequence<220><223> reverse primer for LPL<400>  
26ccatccttag tccccagaaaa 20<210> 27<211>  
20<212> DNA<213> Artificial Sequence<220><223> forward primer for ferritin H chain<400>  
27gaccgagatg atgtggctct 20<210> 28<211>  
20<212> DNA<213> Artificial Sequence<220><223> reverse primer for ferritin H chain<400>  
28aaaagatgaa ggcagcctga 20<210> 29<211>  
20<212> DNA<213> Artificial Sequence<220><223> forward primer for MMP 12<400>  
29tttggagctc acggagactt 20<210> 30<211>  
20<212> DNA<213> Artificial Sequence<220><223> reverse primer for MMP 12<400>  
30gcttggccat atggaaagaaa 20<210> 31<211>  
20<212> DNA<213> Artificial Sequence<220><223> forward primer for RGS<400>  
31gcagcaacct agaaggccatc 20<210> 32<211>  
20<212> DNA<213> Artificial Sequence<220><223> reverse primer for RGS<400>  
32tgtgagacgg caagaatgag 20<210> 33<211>  
20<212> DNA<213> Artificial Sequence<220><223> forward primer for Serpina3G<400>  
33ttcaacctca cagagacccc 20<210> 34<211>  
20<212> DNA<213> Artificial Sequence<220><223> reverse primer for Serpina3G<400>  
34gtaaagcttgc ttccacatgc 20<210> 35<211>  
20<212> DNA<213> Artificial Sequence<220><223> forward primer for P2Y<400>  
35gccagaaact ggaagcgtag 20<210> 36<211>  
20<212> DNA<213> Artificial Sequence<220><223> reverse primer for P2Y<400>  
36gggtcacgaaaa ctctgaagcc 20<210> 37<211>  
20<212> DNA<213> Artificial Sequence<220><223> forward primer for lymphocyte-specific  
PTK<400> 37gaatctgagc cgttggacgc 20<210>  
38<211> 20<212> DNA<213> Artificial Sequence<220><223> reverse primer for lymphocyte-  
specific PTK<400> 38ctgcataaag ccggactagc  
20<210> 39<211> 20<212> DNA<213> Artificial Sequence<220><223> forward primer for  
semaphorin 6A precursor<400> 39aagccaccta gagcgatttg  
20<210> 40<211> 20<212> DNA<213> Artificial Sequence<220><223> reverse  
primer for semaphorin 6A precursor<400> 40gcttccagaa gatcacaggg  
20<210> 41<211> 34<212> DNA<213> Artificial Sequence<220><223>  
forward primer for CD122<400> 41gtcgacgctc ctctcagctg tggatggctac cata  
34<210> 42<211> 36<212> DNA<213> Artificial Sequence<220><223> reverse  
primer for CD122<400> 42ggatcccaga agacgtctac gggcctcaaa ttccaa  
36<210> 43<211> 21<212> DNA<213> Artificial Sequence<220><223> forward primer for  
perforin<400> 43gtcacgtcga agtacttggt g  
21<210> 44<211> 21<212> DNA<213> Artificial Sequence<220><223> reverse primer for  
perforin<400> 44aaccagccac atagcacaca t  
21<210> 45<211> 20<212> DNA<213> Artificial Sequence<220><223> forward primer for  
beta-actin<400> 45gtggggcgcc ccaggcacca

출원번호: 10-2004-0004308

20<210> 46<211> 24<212> DNA<213> Artificial Sequence<220><223> reverse primer for  
beta-actin<400> 46ctccttaatg tcacgcacga tttc  
24<210> 47<211> 1425<212> DNA<213> Mus musculus<220><221> CDS<222>  
(1)..(1422)<223> Mus musculus lipoprotein lipase<400> 47atg gag agc aaa gcc ctg ctc ctg gtg  
gtc ctg gga gtt tgg ctc cag 48Met Glu Ser Lys Ala Leu Leu Leu Val Val Leu Gly Val Trp Leu  
Gln 1 5 10 15 agt ttg acc gcc ttc cga gga  
ggg gtg gcc gca gca gac gca gga aga 96Ser Leu Thr Ala Phe Arg Gly Gly Val Ala Ala Ala Asp  
Ala Gly Arg 20 25 30 gat ttc tca gac atc  
gaa agc aaa ttt gcc cta agg acc cct gaa gac 144Asp Phe Ser Asp Ile Glu Ser Lys Phe Ala Leu  
Arg Thr Pro Glu Asp 35 40 45 gaca gct gag  
gac act tgt cat ctc att cct gga tta gca gac tct gtg 192Thr Ala Glu Asp Thr Cys His Leu Ile  
Pro Gly Leu Ala Asp Ser Val 50 55 60 ctct  
aac tgc cac ttc aac cac agc aag acc ttc gtg gtg atc cat 240Ser Asn Cys His Phe Asn His  
Ser Ser Lys Thr Phe Val Val Ile His 65 70 75 80  
ggg tgg acg gta acg gga atg tat gag agt tgg gtg ccc aaa ctt gtg 288Gly Trp Thr Val Thr Gly  
Met Tyr Glu Ser Trp Val Pro Lys Leu Val 85 90 95  
ggcc gcc ctg tac aag aga gaa cct gac tcc aat gtc att gta gta gac 336Ala Ala Leu Tyr Lys  
Arg Glu Pro Asp Ser Asn Val Ile Val Val Asp 100 105 110  
ttgg ttg tat cgg gcc cag caa cat tat cca gtg tca gct ggc tac acc 384Trp Leu Tyr Arg  
Ala Gln Gln His Tyr Pro Val Ser Ala Gly Tyr Thr 115 120 125  
aag ctg gtg gga aat gat gtg gcc aga ttc atc aac tgg atg gag gag 432Lys Leu Val  
Gly Asn Asp Val Ala Arg Phe Ile Asn Trp Met Glu Glu 130 135 140  
ggag ttt aag tac ccc cta gac aac gtc cac ctc tta ggg tac agc ctt 480Glu Phe  
Lys Tyr Pro Leu Asp Asn Val His Leu Leu Gly Tyr Ser Leu 145 150 155  
ggg gcc cat gct ggc gta gca gga agt ctg acc aat aag aag gtc 528Gly  
Ala His Ala Ala Gly Val Ala Gly Ser Leu Thr Asn Lys Val 165 170 175  
aat aga att act ggt ttg gat cca gct ggg cct aac ttt gag tat gca  
576Asn Arg Ile Thr Gly Leu Asp Pro Ala Gly Pro Asn Phe Glu Tyr Ala 180  
185 190 gaa gcc ccc agt cgc ctt tct cct gat gac gct gat ttt gta gat gtc  
624Glu Ala Pro Ser Arg Leu Ser Pro Asp Asp Ala Asp Phe Val Asp Val 195  
200 205 cttt cac aca ttt acc agg ggg tca cct ggt cga agt att ggg atc cag  
672Leu His Thr Phe Thr Arg Gly Ser Pro Gly Arg Ser Ile Gly Ile Gln 210  
215 220 aaaa cca gtg ggg cat gtt gac att tat ccc aat gga ggc act ttc  
cag 720Lys Pro Val Gly His Val Asp Ile Tyr Pro Asn Gly Gly Thr Phe Gln 225  
230 235 240 ccca gga tgc aac att gga gaa gcc atc cgt gtg att gca gag  
aga gga 768Pro Gly Cys Asn Ile Gly Glu Ala Ile Arg Val Ile Ala Glu Arg Gly 250  
245 255 ctc gga gac gtg gac cag ctg gtg aag tgc tcg cat gag  
cgc tcc att 816Leu Gly Asp Val Asp Gln Leu Val Lys Cys Ser His Glu Arg Ser Ile 265  
260 270 ccat ctc ttc att gac tcc ctg ctg aat gaa gaa aac  
ccc agc aaa gca 864His Leu Phe Ile Asp Ser Leu Leu Asn Glu Glu Asn Pro Ser Lys Ala 275  
275 280 285 tac agg tgc aac tcc aag gaa gcc ttt gag aaa  
ggg ctc tgc ctg agt 912Tyr Arg Cys Asn Ser Lys Glu Ala Phe Glu Lys Gly Leu Cys Leu Ser 280

출원번호: 10-2004-0004308

290	295	300	305	310	315	320	325	330	335	340	345	350	355	360	365	370	375	380
tat gag atc aac aag gtc	960	Cys Arg Lys Asn Arg Cys Asn Asn Leu Gly Tyr Ile Asn Lys Val	305	310	315	320	325	330	335	340	345	350	355	360	365	370	375	380
tac ctg aag act cgc tct cag atg	1008	Arg Ala Lys Arg Ser Ser Lys Met Tyr Leu Lys Thr Arg Ser	Gln Met	310	315	320	325	330	335	340	345	350	355	360	365	370	375	380
tac caa gtc aag att cac ttt tct ggg act	1056	Pro Tyr Lys Val Phe His Tyr Gln Val Lys Ile His	Phe Ser Gly Thr	315	320	325	330	335	340	345	350	355	360	365	370	375	380	
caa cac aac cag gcc ttc gaa att tct ctg tac ggc	1104	Glu Asn Gly Lys Gln His Asn Gln Ala Phe	Glu Ile Ser Leu Tyr Gly	320	325	330	335	340	345	350	355	360	365	370	375	380		
gcc gag agc gag aac att ccc ttc acc ctg ccc gag gtt tcc	1152	Thr Val Ala Glu Ser Glu Asn Ile	Pro Phe Thr Leu Pro Glu Val Ser	325	330	335	340	345	350	355	360	365	370	375	380			
<b>330</b> <b>335</b> <b>340</b> <b>345</b> <b>350</b> <b>355</b> <b>360</b> <b>365</b> <b>370</b> <b>375</b> <b>380</b>	<b>385</b>	<b>390</b>	<b>395</b>	<b>400</b> <b>405</b> <b>410</b>	<b>415</b> <b>420</b> <b>425</b>	<b>430</b> <b>435</b> <b>440</b>	<b>445</b> <b>450</b> <b>455</b>	<b>460</b> <b>465</b> <b>470</b>	<b>475</b> <b>480</b> <b>485</b> <b>490</b> <b>495</b> <b>500</b>	<b>505</b> <b>510</b> <b>515</b> <b>520</b> <b>525</b> <b>530</b> <b>535</b> <b>540</b> <b>545</b> <b>550</b> <b>555</b> <b>560</b> <b>565</b> <b>570</b> <b>575</b> <b>580</b> <b>585</b> <b>590</b> <b>595</b> <b>600</b> <b>605</b> <b>610</b> <b>615</b> <b>620</b> <b>625</b> <b>630</b> <b>635</b> <b>640</b> <b>645</b> <b>650</b> <b>655</b> <b>660</b> <b>665</b> <b>670</b> <b>675</b> <b>680</b> <b>685</b> <b>690</b> <b>695</b> <b>700</b> <b>705</b> <b>710</b> <b>715</b> <b>720</b> <b>725</b> <b>730</b> <b>735</b> <b>740</b> <b>745</b> <b>750</b> <b>755</b> <b>760</b> <b>765</b> <b>770</b> <b>775</b> <b>780</b> <b>785</b> <b>790</b> <b>795</b> <b>800</b> <b>805</b> <b>810</b> <b>815</b> <b>820</b> <b>825</b> <b>830</b> <b>835</b> <b>840</b> <b>845</b> <b>850</b> <b>855</b> <b>860</b> <b>865</b> <b>870</b> <b>875</b> <b>880</b> <b>885</b> <b>890</b> <b>895</b> <b>900</b> <b>905</b> <b>910</b> <b>915</b> <b>920</b> <b>925</b> <b>930</b> <b>935</b> <b>940</b> <b>945</b> <b>950</b> <b>955</b> <b>960</b> <b>965</b> <b>970</b> <b>975</b> <b>980</b> <b>985</b> <b>990</b> <b>995</b> <b>1000</b> <b>1005</b> <b>1010</b> <b>1015</b> <b>1020</b> <b>1025</b> <b>1030</b> <b>1035</b> <b>1040</b> <b>1045</b> <b>1050</b> <b>1055</b> <b>1060</b> <b>1065</b> <b>1070</b> <b>1075</b> <b>1080</b> <b>1085</b> <b>1090</b> <b>1095</b> <b>1100</b> <b>1105</b> <b>1110</b> <b>1115</b> <b>1120</b> <b>1125</b> <b>1130</b> <b>1135</b> <b>1140</b> <b>1145</b> <b>1150</b> <b>1155</b> <b>1160</b> <b>1165</b> <b>1170</b> <b>1175</b> <b>1180</b> <b>1185</b> <b>1190</b> <b>1195</b> <b>1200</b> <b>1205</b> <b>1210</b> <b>1215</b> <b>1220</b> <b>1225</b> <b>1230</b> <b>1235</b> <b>1240</b> <b>1245</b> <b>1250</b> <b>1255</b> <b>1260</b> <b>1265</b> <b>1270</b> <b>1275</b> <b>1280</b> <b>1285</b> <b>1290</b> <b>1295</b> <b>1300</b> <b>1305</b> <b>1310</b> <b>1315</b> <b>1320</b> <b>1325</b> <b>1330</b> <b>1335</b> <b>1340</b> <b>1345</b> <b>1350</b> <b>1355</b> <b>1360</b> <b>1365</b> <b>1370</b> <b>1375</b> <b>1380</b> <b>1385</b> <b>1390</b> <b>1395</b> <b>1400</b> <b>1405</b> <b>1410</b> <b>1415</b> <b>1420</b> <b>1425</b> <b>1430</b> <b>1435</b> <b>1440</b> <b>1445</b> <b>1450</b> <b>1455</b> <b>1460</b> <b>1465</b> <b>1470</b> <b>1475</b> <b>1480</b> <b>1485</b> <b>1490</b> <b>1495</b> <b>1500</b> <b>1505</b> <b>1510</b> <b>1515</b> <b>1520</b> <b>1525</b> <b>1530</b> <b>1535</b> <b>1540</b> <b>1545</b> <b>1550</b> <b>1555</b> <b>1560</b> <b>1565</b> <b>1570</b> <b>1575</b> <b>1580</b> <b>1585</b> <b>1590</b> <b>1595</b> <b>1600</b> <b>1605</b> <b>1610</b> <b>1615</b> <b>1620</b> <b>1625</b> <b>1630</b> <b>1635</b> <b>1640</b> <b>1645</b> <b>1650</b> <b>1655</b> <b>1660</b> <b>1665</b> <b>1670</b> <b>1675</b> <b>1680</b> <b>1685</b> <b>1690</b> <b>1695</b> <b>1700</b> <b>1705</b> <b>1710</b> <b>1715</b> <b>1720</b> <b>1725</b> <b>1730</b> <b>1735</b> <b>1740</b> <b>1745</b> <b>1750</b> <b>1755</b> <b>1760</b> <b>1765</b> <b>1770</b> <b>1775</b> <b>1780</b> <b>1785</b> <b>1790</b> <b>1795</b> <b>1800</b> <b>1805</b> <b>1810</b> <b>1815</b> <b>1820</b> <b>1825</b> <b>1830</b> <b>1835</b> <b>1840</b> <b>1845</b> <b>1850</b> <b>1855</b> <b>1860</b> <b>1865</b> <b>1870</b> <b>1875</b> <b>1880</b> <b>1885</b> <b>1890</b> <b>1895</b> <b>1900</b> <b>1905</b> <b>1910</b> <b>1915</b> <b>1920</b> <b>1925</b> <b>1930</b> <b>1935</b> <b>1940</b> <b>1945</b> <b>1950</b> <b>1955</b> <b>1960</b> <b>1965</b> <b>1970</b> <b>1975</b> <b>1980</b> <b>1985</b> <b>1990</b> <b>1995</b> <b>2000</b> <b>2005</b> <b>2010</b> <b>2015</b> <b>2020</b> <b>2025</b> <b>2030</b> <b>2035</b> <b>2040</b> <b>2045</b> <b>2050</b> <b>2055</b> <b>2060</b> <b>2065</b> <b>2070</b> <b>2075</b> <b>2080</b> <b>2085</b> <b>2090</b> <b>2095</b> <b>2100</b> <b>2105</b> <b>2110</b> <b>2115</b> <b>2120</b> <b>2125</b> <b>2130</b> <b>2135</b> <b>2140</b> <b>2145</b> <b>2150</b> <b>2155</b> <b>2160</b> <b>2165</b> <b>2170</b> <b>2175</b> <b>2180</b> <b>2185</b> <b>2190</b> <b>2195</b> <b>2200</b> <b>2205</b> <b>2210</b> <b>2215</b> <b>2220</b> <b>2225</b> <b>2230</b> <b>2235</b> <b>2240</b> <b>2245</b> <b>2250</b> <b>2255</b> <b>2260</b> <b>2265</b> <b>2270</b> <b>2275</b> <b>2280</b> <b>2285</b> <b>2290</b> <b>2295</b> <b>2300</b> <b>2305</b> <b>2310</b> <b>2315</b> <b>2320</b> <b>2325</b> <b>2330</b> <b>2335</b> <b>2340</b> <b>2345</b> <b>2350</b> <b>2355</b> <b>2360</b> <b>2365</b> <b>2370</b> <b>2375</b> <b>2380</b> <b>2385</b> <b>2390</b> <b>2395</b> <b>2400</b> <b>2405</b> <b>2410</b> <b>2415</b> <b>2420</b> <b>2425</b> <b>2430</b> <b>2435</b> <b>2440</b> <b>2445</b> <b>2450</b> <b>2455</b> <b>2460</b> <b>2465</b> <b>2470</b> <b>2475</b> <b>2480</b> <b>2485</b> <b>2490</b> <b>2495</b> <b>2500</b> <b>2505</b> <b>2510</b> <b>2515</b> <b>2520</b> <b>2525</b> <b>2530</b> <b>2535</b> <b>2540</b> <b>2545</b> <b>2550</b> <b>2555</b> <b>2560</b> <b>2565</b> <b>2570</b> <b>2575</b> <b>2580</b> <b>2585</b> <b>2590</b> <b>2595</b> <b>2600</b> <b>2605</b> <b>2610</b> <b>2615</b> <b>2620</b> <b>2625</b> <b>2630</b> <b>2635</b> <b>2640</b> <b>2645</b> <b>2650</b> <b>2655</b> <b>2660</b> <b>2665</b> <b>2670</b> <b>2675</b> <b>2680</b> <b>2685</b> <b>2690</b> <b>2695</b> <b>2700</b> <b>2705</b> <b>2710</b> <b>2715</b> <b>2720</b> <b>2725</b> <b>2730</b> <b>2735</b> <b>2740</b> <b>2745</b> <b>2750</b> <b>2755</b> <b>2760</b> <b>2765</b> <b>2770</b> <b>2775</b> <b>2780</b> <b>2785</b> <b>2790</b> <b>2795</b> <b>2800</b> <b>2805</b> <b>2810</b> <b>2815</b> <b>2820</b> <b>2825</b> <b>2830</b> <b>2835</b> <b>2840</b> <b>2845</b> <b>2850</b> <b>2855</b> <b>2860</b> <b>2865</b> <b>2870</b> <b>2875</b> <b>2880</b> <b>2885</b> <b>2890</b> <b>2895</b> <b>2900</b> <b>2905</b> <b>2910</b> <b>2915</b> <b>2920</b> <b>2925</b> <b>2930</b> <b>2935</b> <b>2940</b> <b>2945</b> <b>2950</b> <b>2955</b> <b>2960</b> <b>2965</b> <b>2970</b> <b>2975</b> <b>2980</b> <b>2985</b> <b>2990</b> <b>2995</b> <b>3000</b> <b>3005</b> <b>3010</b> <b>3015</b> <b>3020</b> <b>3025</b> <b>3030</b> <b>3035</b> <b>3040</b> <b>3045</b> <b>3050</b> <b>3055</b> <b>3060</b> <b>3065</b> <b>3070</b> <b>3075</b> <b>3080</b> <b>3085</b> <b>3090</b> <b>3095</b> <b>3100</b> <b>3105</b> <b>3110</b> <b>3115</b> <b>3120</b> <b>3125</b> <b>3130</b> <b>3135</b> <b>3140</b> <b>3145</b> <b>3150</b> <b>3155</b> <b>3160</b> <b>3165</b> <b>3170</b> <b>3175</b> <b>3180</b> <b>3185</b> <b>3190</b> <b>3195</b> <b>3200</b> <b>3205</b> <b>3210</b> <b>3215</b> <b>3220</b> <b>3225</b> <b>3230</b> <b>3235</b> <b>3240</b> <b>3245</b> <b>3250</b> <b>3255</b> <b>3260</b> <b>3265</b> <b>3270</b> <b>3275</b> <b>3280</b> <b>3285</b> <b>3290</b> <b>3295</b> <b>3300</b> <b>3305</b> <b>3310</b> <b>3315</b> <b>3320</b> <b>3325</b> <b>3330</b> <b>3335</b> <b>3340</b> <b>3345</b> <b>3350</b> <b>3355</b> <b>3360</b> <b>3365</b> <b>3370</b> <b>3375</b> <b>3380</b> <b>3385</b> <b>3390</b> <b>3395</b> <b>3400</b> <b>3405</b> <b>3410</b> <b>3415</b> <b>3420</b> <b>3425</b> <b>3430</b> <b>3435</b> <b>3440</b> <b>3445</b> <b>3450</b> <b>3455</b> <b>3460</b> <b>3465</b> <b>3470</b> <b>3475</b> <b>3480</b> <b>3485</b> <b>3490</b> <b>3495</b> <b>3500</b> <b>3505</b> <b>3510</b> <b>3515</b> <b>3520</b> <b>3525</b> <b>3530</b> <b>3535</b> <b>3540</b> <b>3545</b> <b>3550</b> <b>3555</b> <b>3560</b> <b>3565</b> <b>3570</b> <b>3575</b> <b>3580</b> <b>3585</b> <b>3590</b> <b>3595</b> <b>3600</b> <b>3605</b> <b>3610</b> <b>3615</b> <b>3620</b> <b>3625</b> <b>3630</b> <b>3635</b> <b>3640</b> <b>3645</b> <b>3650</b> <b>3655</b> <b>3660</b> <b>3665</b> <b>3670</b> <b>3675</b> <b>3680</b> <b>3685</b> <b>3690</b> <b>3695</b> <b>3700</b> <b>3705</b> <b>3710</b> <b>3715</b> <b>3720</b> <b>3725</b> <b>3730</b> <b>3735</b> <b>3740</b> <b>3745</b> <b>3750</b> <b>3755</b> <b>3760</b> <b>3765</b> <b>3770</b> <b>3775</b> <b>3780</b> <b>3785</b> <b>3790</b> <b>3795</b> <b>3800</b> <b>3805</b> <b>3810</b> <b>3815</b> <b>3820</b> <b>3825</b> <b>3830</b> <b>3835</b> <b>3840</b> <b>3845</b> <b>3850</b> <b>3855</b> <b>3860</b> <b>3865</b> <b>3870</b> <b>3875</b> <b>3880</b> <b>3885</b> <b>3890</b> <b>3895</b> <b>3900</b> <b>3905</b> <b>3910</b> <b>3915</b> <b>3920</b> <b>3925</b> <b>3930</b> <b>3935</b> <b>3940</b> <b>3945</b> <b>3950</b> <b>3955</b> <b>3960</b> <b>3965</b> <b>3970</b> <b>3975</b> <b>3980</b> <b>3985</b> <b>3990</b> <b>3995</b> <b>4000</b> <b>4005</b> <b>4010</b> <b>4015</b> <b>4020</b> <b>4025</b> <b>4030</b> <b>4035</b> <b>4040</b> <b>4045</b> <b>4050</b> <b>4055</b> <b>4060</b> <b>4065</b> <b>4070</b> <b>4075</b> <b>4080</b> <b>4085</b> <b>4090</b> <b>4095</b> <b>4100</b> <b>4105</b> <b>4110</b> <b>4115</b> <b>4120</b> <b>4125</b> <b>4130</b> <b>4135</b> <b>4140</b> <b>4145</b> <b>4150</b> <b>4155</b> <b>4160</b> <b>4165</b> <b>4170</b> <b>4175</b> <b>4180</b> <b>4185</b> <b>4190</b> <b>4195</b> <b>4200</b> <b>4205</b> <b>4210</b> <b>4215</b> <b>4220</b> <b>4225</b> <b>4230</b> <b>4235</b> <b>4240</b> <b>4245</b> <b>4250</b> <b>4255</b> <b>4260</b> <b>4265</b> <b>4270</b> <b>4275</b> <b>4280</b> <b>4285</b> <b>4290</b> <b>4295</b> <b>4300</b> <b>4305</b> <b>4310</b> <b>4315</b> <b>4320</b> <b>4325</b> <b>4330</b> <b>4335</b> <b>4340</b> <b>4345</b> <b>4350</b> <b>4355</b> <b>4360</b> <b>4365</b> <b>4370</b> <b>4375</b> <b>4380</b> <b>4385</b> <b>4390</b> <b>4395</b> <b>4400</b> <b>4405</b> <b>4410</b> <b>4415</b> <b>4420</b> <b>4425</b> <b>4430</b> <b>4435</b> <b>4440</b> <b>4445</b> <b>4450</b> <b>4455</b> <b>4460</b> <b>4465</b> <b>4470</b> <b>4475</b> <b>4480</b> <b>4485</b> <b>4490</b> <b>4495</b> <b>4500</b> <b>4505</b> <b>4510</b> <b>4515</b> <b>4520</b> <b>4525</b> <b>4530</b> <b>4535</b> <b>4540</b> <b>4545</b> <b>4550</b> <b>4555</b> <b>4560</b> <b>4565</b> <b>4570</b> <b>4575</b> <b>4580</b> <b>4585</b> <b>4590</b> <b>4595</b> <b>4600</b> <b>4605</b> <b>4610</b> <b>4615</b> <b>4620</b> <b>4625</b> <b>4630</b> <b>4635</b> <b>4640</b> <b>4645</b> <b>4650</b> <b>4655</b> <b>4660</b> <b>4665</b> <b>4670</b> <b>4675</b> <b>4680</b> <b>4685</b> <b>4690</b> <b>4695</b> <b>4700</b> <b>4705</b> <b>4710</b> <b>4715</b> <b>4720</b> <b>4725</b> <b>4730</b> <b>4735</b> <b>4740</b> <b>4745</b> <b>4750</b> <b>4755</b> <b>4760</b> <b>4765</b> <b>4770</b> <b>4775</b> <b>4780</b> <b>4785</b> <b>4790</b> <b>4795</b> <b>4800</b> <b>4805</b> <b>4810</b> <b>4815</b> <b>4820</b> <b>4825</b> <b>4830</b> <b>4835</b> <b>4840</b> <b>4845</b> <b>4850</b> <b>4855</b> <b>4860</b> <b>4865</b> <b>4870</b> <b>4875</b> <b>4880</b> <b>4885</b> <b>4890</b> <b>4895</b> <b>4900</b> <b>4905</b> <b>4910</b> <b>4915</b> <b>4920</b> <b>4925</b> <b>4930</b> <b>4935</b> <b>4940</b> <b>4945</b> <b>4950</b> <b>4955</b> <b>4960</b> <b>4965</b> <b>4970</b> <b>4975</b> <b>4980</b> <b>4985</b> <b>4990</b> <b>4995</b> <b>5000</b> <b>5005</b> <b>5010</b> <b>5015</b> <b>5020</b> <b>5025</b> <b>5030</b> <b>5035</b> <b>5040</b> <b>5045</b> <b>5050</b> <b>5055</b> <b>5060</b> <b>5065</b> <b>5070</b> <b>5075</b> <b>5080</b> <b>5085</b> <b>5090</b> <b>5095</b> <b>5100</b> <b>5105</b> <b>5110</b> <b>5115</b> <b>5120</b> <b>5125</b> <b>5130</b> <b>5135</b> <b>5140</b> <b>5145</b> <b>5150</b> <b>5155</b> <b>5160</b> <b>5165</b> <b>5170</b> <b>5175</b> <b>5180</b> <b>5185</b> <b>5190</b> <b>5195</b> <b>5200</b> <b>5205</b> <b>5210</b> <b>5215</b> <b>5220</b> <b>5225</b> <b>5230</b> <b>5235</b> <b>5240</b> <b>5245</b> <b>5250</b> <b>5255</b> <b>5260</b> <b>5265</b> <b>5270</b> <b>5275</b> <b>5280</b> <b>5285</b> <b>5290</b> <b>5295</b> <b>5300</b> <b>5305</b> <b>5310</b> <b>5315</b> <b>5320</b> <b>5325</b> <b>5330</b> <b>5335</b> <b>5340</b> <b>5345</b> <b>5350</b> <b>5355</b> <b>5360</b> <b>5365</b> <b>5370</b> <b>5375</b> <b>5380</b> <b>5385</b> <b>5390</b> <b>5395</b> <b>5400</b> <b>5405</b> <b>5410</b> <b>5415</b> <b>5420</b> <b>5425</b> <b>5430</b> <b>5435</b> <b>5440</b> <b>5445</b> <b>5450</b> <b>5455</b> <b>5460</b> <b>5465</b> <b>5470</b> <b>5475</b> <b>5480</b> <b>5485</b> <b>5490</b> <b>5495</b> <b>5500</b> <b>5505</b> <b>5510</b> <b>5515</b> <b>5520</b> <b>5525</b> <b>5530</b> <b>5535</b> <b>5540</b> <b>5545</b> <b>5550</b> <b>5555</b> <b>5560</b> <b>5565</b> <b>5570</b> <b>5575</b> <b>5580</b> <b>5585</b> <b>5590</b> <b>5595</b> <b>5600</b> <b>5605</b> <b>5610</b> <b>5615</b> <b>5620</b> <b>5625</b> <b>5630</b> <b>5635</b> <b>5640</b> <b>5645</b> <b>5650</b> <b>5655</b> <b>5660</b> <b>5665</b> <b>5670</b> <b>5675</b> <b>5680</b> <b>5685</b> <b>5690</b> <b>5695</b> <b>5700</b> <b>5705</b> <b>5710</b> <b>5715</b> <b>5720</b> <b>5725</b> <b>5730</b> <b>5735</b> <b>5740</b> <b>5745</b> <b>5750</b> <b>5755</b> <b>5760</b> <b>5765</b> <b>5770</b> <b>5775</b> <b>5780</b> <b>5785</b> <b>5790</b> <b>5795</b> <b>5800</b> <b>5805</b> <b>5810</b> <b>5815</b> <b>5820</b> <b>5825</b> <b>5830</b> <b>5835</b> <b>5840</b> <b>5845</b> <b>5850</b> <b>5855</b> <b>5860</b> <b>5865</b> <b>5870</b> <b>5875</b> <b>5880</b> <b>5885</b> <b>5890</b> <b>5895</b> <b>5900</b> <b>5905</b> <b>5910</b> <b>5915</b> <b>5920</b> <b>592</b>								

출원번호: 10-2004-0004308

Val Ile Ala Glu Arg Gly	245	250	255	Leu Gly Asp Val
Asp Gln Leu Val Lys Cys Ser His Glu Arg Ser Ile		260		265
270 His Leu Phe Ile Asp Ser Leu Leu Asn Glu Glu Asn Pro Ser Lys Ala		275		280
285 Tyr Arg Cys Asn Ser Lys Glu Ala Phe Glu Lys Gly Leu Cys Leu Ser				290
295	300 Cys Arg Lys Asn Arg Cys Asn Asn Leu Gly Tyr Glu Ile Asn Lys Val	305		
310	315	320 Arg Ala Lys Arg Ser Ser Lys Met Tyr Leu Lys Thr		
Arg Ser Gln Met	325	330	335 Pro Tyr Lys Val Phe His	
Tyr Gln Val Lys Ile His Phe Ser Gly Thr	340	345		350 Glu
Asn Gly Lys Gln His Asn Gln Ala Phe Glu Ile Ser Leu Tyr Gly		355		360
365 Thr Val Ala Glu Ser Glu Asn Ile Pro Phe Thr Leu Pro Glu Val Ser	370			375
380 Thr Asn Lys Thr Tyr Ser Phe Leu Ile Tyr Thr Glu Val Asp Ile Gly	385			
390	395	400 Glu Leu Leu Met Met Lys Leu Lys Trp Met Ser Asp Ser Tyr		
Phe Ser	405	410	415 Trp Pro Asp Trp Trp Ser Ser Pro	
Ser Phe Val Ile Glu Arg Ile Arg	420	425		430 Val Lys Ala
Gly Glu Thr Gln Lys Lys Val Ile Phe Cys Ala Arg Glu		435		440
445 Lys Val Ser His Leu Gln Lys Gly Lys Asp Ser Ala Val Phe Val Lys	450			455
460 Cys His Asp Lys Ser Leu Lys Lys Ser Gly	465	470		